

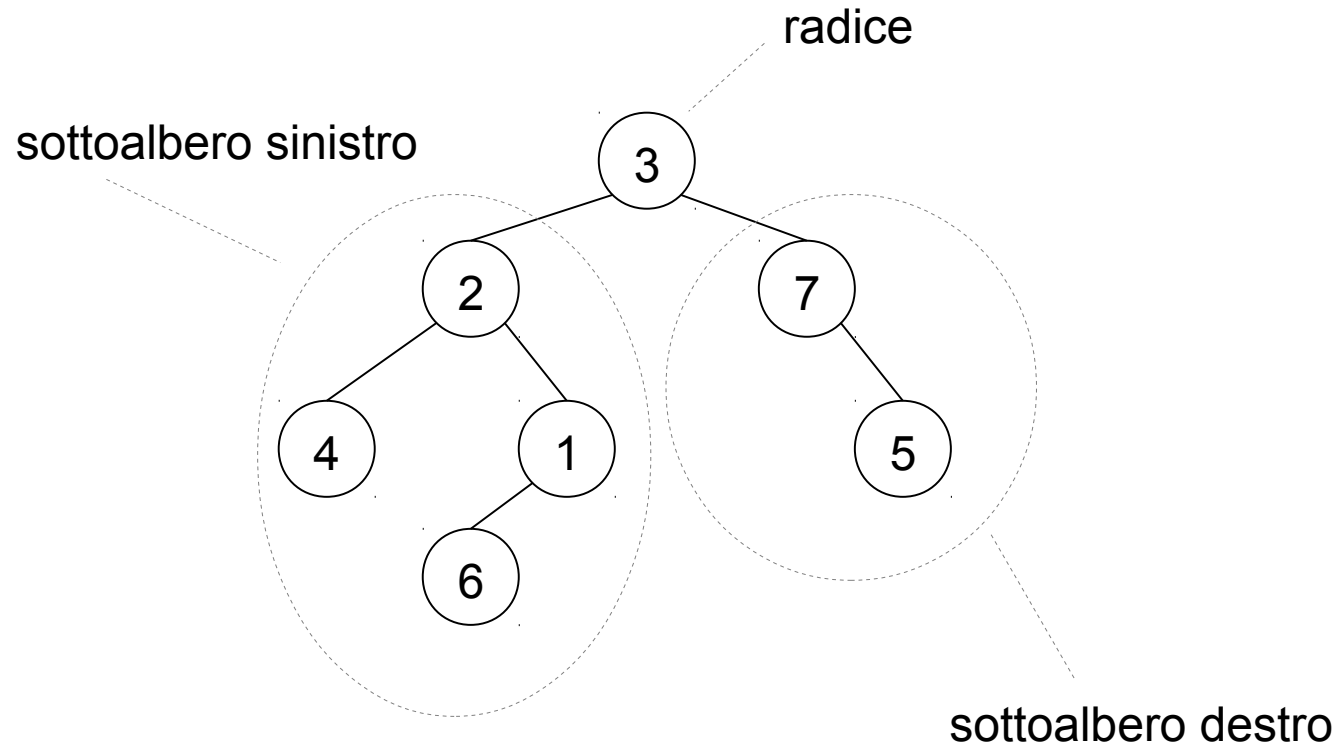
# Strutture dati

## (parte II: alberi e grafi)

# Alberi binari

- Un **albero binario** è fatto di 3 elementi: un nodo *radice*; un albero binario che è il *sottoalbero sinistro*, ed un albero binario che è il *sottoalbero destro*
  - è una definizione ricorsiva
  - un sottoalbero può essere *vuoto (NIL)*
- Ad ogni nodo dell'albero associamo un oggetto con una *chiave*

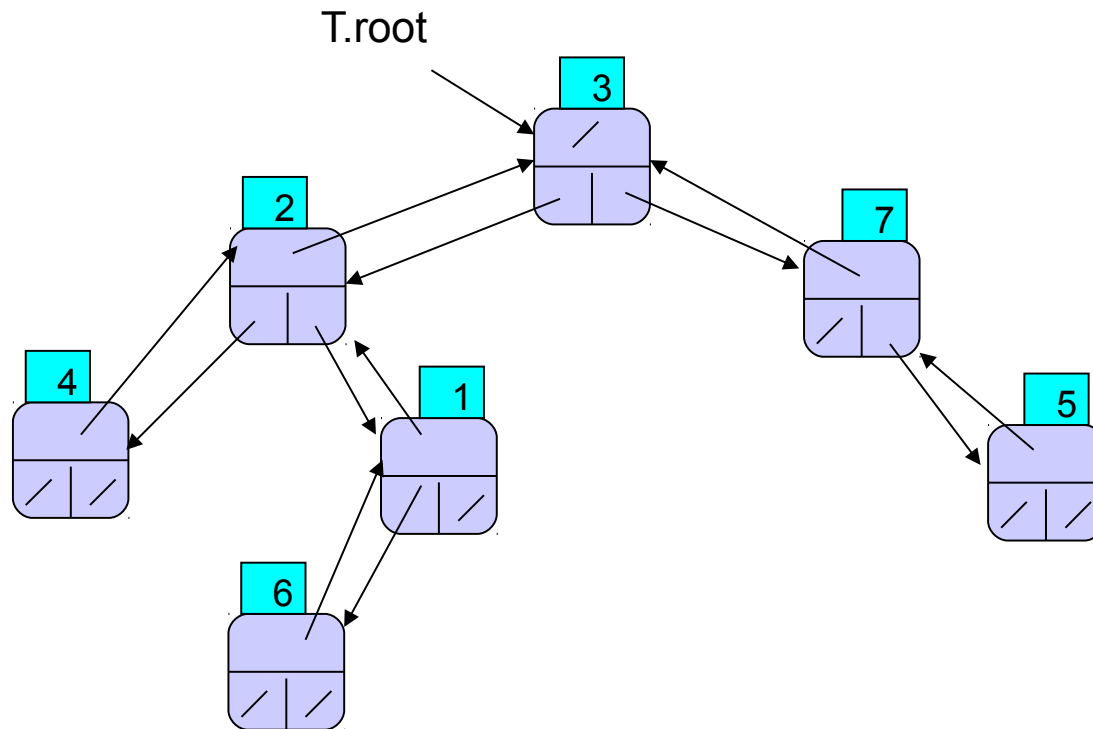
# Esempio di albero binario



# Rappresentazione di alberi binari

- Tipicamente si rappresentano alberi binari mediante strutture dati concatenate
  - abbiamo però anche visto la rappresentazione mediante array
- Ogni nodo dell'albero è rappresentato da un oggetto che ha i seguenti attributi
  - *key*, la chiave del nodo (che per noi ne rappresenta il contenuto)
    - tipicamente ci sono anche i dati satelliti
  - *p*, che è il (puntatore al) nodo padre
  - *left*, che è il (puntatore al) sottoalbero sinistro
    - *left* è la radice del sottoalbero sinistro
  - *right* che è il (puntatore al) sottoalbero destro
    - è la radice del sottoalbero destro
- ogni albero *T* ha un attributo, *T.root*, che è il puntatore alla radice dell'albero

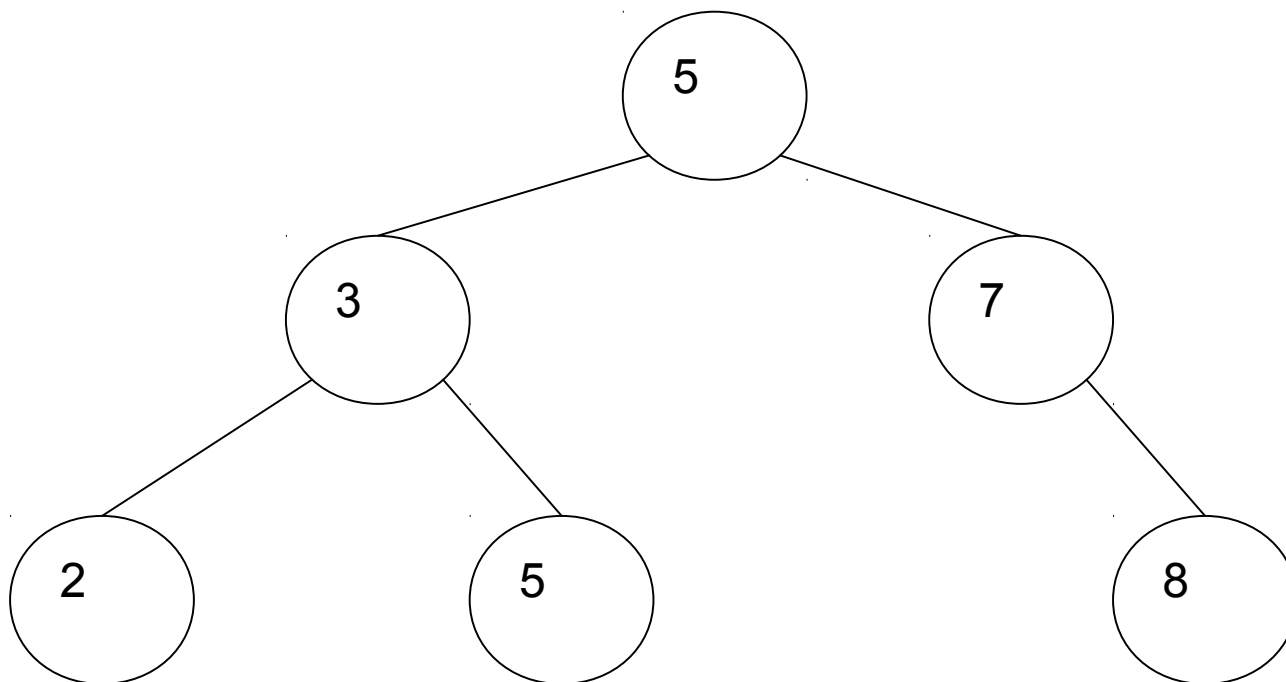
- Si noti che:
  - se il sottoalbero sinistro (destro) di un nodo  $x$  è vuoto, allora  $x.left = NIL$  ( $x.right = NIL$ )
  - $x.p = NIL$  se e solo se  $x$  è la radice (cioè  $x = T.root$ )
- Per esempio:



# Alberi binari di ricerca (Binary Search Trees)

- Un albero binario di ricerca (Binary Search Tree, BST) è un albero binario che soddisfa la seguente proprietà:
  - per tutti i nodi  $x$  del BST, se  $l$  è un nodo nel sottoalbero sinistro, allora  $l.key \leq x.key$ ; se  $r$  è un nodo del sottoalbero destro, allora  $x.key \leq r.key$ 
    - tutti i nodi  $l$  del sottoalbero sinistro di un nodo  $x$  sono tali che, per tutti i nodi  $r$  nel sottoalbero destro di  $x$  vale  $l.key \leq r.key$

# esempio



- Una tipica operazione che viene fatta su un albero è di attraversarlo (*walk through*)
- Lo scopo dell'attraversamento di un albero è di produrre (le chiavi associate a) gli elementi dell'albero
- Ci sono diversi modi di attraversare un albero; un modo è l'attraversamento simmetrico (**inorder tree walk**)
  - prima si visita il sottoalbero sinistro e si restituiscono i suoi nodi
  - quindi si restituisce la radice
  - quindi si visita il sottoalbero destro e si restituiscono i suoi nodi
- Si noti che:
  - come spesso accade con gli algoritmi sugli alberi (che è un astruttura dati inerentemente ricorsiva), l'attraversamento simmetrico è un algoritmo ricorsivo
  - con l'attraversamento simmetrico gli elementi di un albero sono restituiti *ordinati*
    - per esempio, l'attraversamento simmetrico sull'albero precedente produce le chiavi seguenti: 2, 3, 5, 5, 7, 8



# Algoritmi di attraversamento

INORDER-TREE-WALK( $x$ )

```
1 if  $x \neq \text{NIL}$ 
2   INORDER-TREE-WALK( $x.\text{left}$ )
3   print  $x.\text{key}$ 
4   INORDER-TREE-WALK( $x.\text{right}$ )
```

- Se  $T$  è un BST, INORDER-TREE-WALK( $T.\text{root}$ ) stampa tutti gli elementi di  $T$  in ordine crescente
- Se  $n$  è il numero di nodi nel (sotto)albero, il tempo di esecuzione per INORDER-TREE-WALK è  $\Theta(n)$ 
  - se l'albero è vuoto, è eseguito in tempo costante  $c$
  - se l'albero ha 2 sottoalberi di dimensioni  $k$  e  $n-k-1$ ,  $T(n)$  è dato dalla ricorrenza  $T(n) = T(k) + T(n-k-1) + d$ , che ha soluzione  $(c+d)n+c$ 
    - lo si può vedere sostituendo la soluzione nell'equazione

- Altre possibili strategie di attraversamento: *anticipato* (**preorder** tree walk), e *posticipato* (**postorder** tree walk)
  - in preorder, la radice è restituita *prima* dei sottoalberi
  - in postorder, la radice è restituita *dopo* i sottoalberi
- Esercizio: scrivere lo pseudocodice per **PREORDER-TREE-WALK** e **POSTORDER-TREE-WALK**

# Operazioni sui BST

- Sfruttiamo la proprietà di essere un BST per realizzare la *ricerca*:
  - confronta la chiave della radice con quella cercata
  - se sono uguali, l'elemento è quello cercato
  - se la chiave della radice è più grande, cerca nel sottoalbero sinistro
  - se la chiave della radice è più grande, cerca nel sottoalbero destro

TREE-SEARCH( $x, k$ )

1 **if**  $x = \text{NIL}$  or  $k = x.\text{key}$

2     **return**  $x$

3 **if**  $k < x.\text{key}$

4     **return** TREE-SEARCH( $x.\text{left}, k$ )

5 **else return** TREE-SEARCH( $x.\text{right}, k$ )

- Il tempo di esecuzione è  $O(h)$ , con  $h$  l'altezza dell'albero

- L'elemento *minimo* (risp. *massimo*) in un BST è quello che è più a sinistra (risp. destra)
- Sfruttiamo questa proprietà per definire il seguente algoritmo, che semplicemente “scende” nell'albero
  - MINIMUM scende a sinistra, mentre MAXIMUM scende a destra
  - gli algoritmi restituiscono l'oggetto nell'albero con la chiave minima, non la chiave stessa

TREE-MINIMUM( $x$ )

1 **while**  $x.left \neq NIL$

2    $x := x.left$

3 **return**  $x$

TREE-MAXIMUM( $x$ )

1 **while**  $x.right \neq NIL$

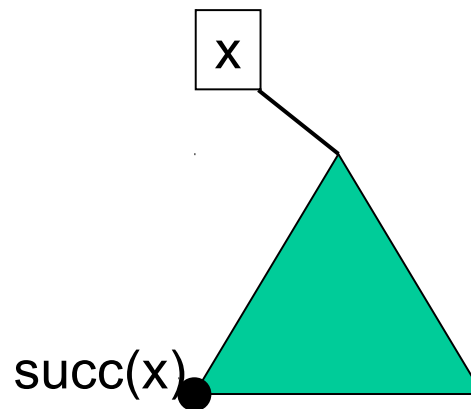
2    $x := x.right$

3 **return**  $x$

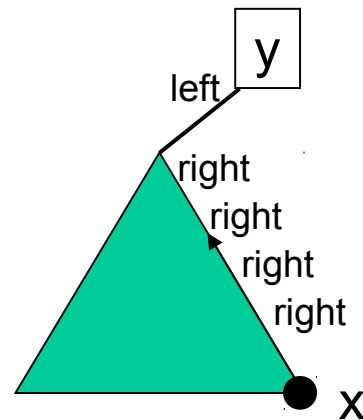
- Entrambi gli algoritmi hanno tempo di esecuzione che è  $O(h)$ , con  $h$  l'altezza dell'albero

# Operazioni sui BST (2)

- Il *successore* (risp. *predecessore*) di un oggetto  $x$  in un BST è l'elemento  $y$  del BST tale che  $y.key$  è la più piccola (risp. più grande) tra le chiavi che sono più grandi (risp. piccole) di  $x.key$ 
  - di fatto, se il sottoalbero destro di un oggetto  $x$  dell'albero non è vuoto, il successore di  $x$  è l'elemento più piccolo (cioè il *minimo*) del sottoalbero destro di  $x$



- se il sottoalbero destro di  $x$  è vuoto, il successore di  $x$  è il primo elemento  $y$  che si incontra risalendo nell'albero da  $x$  tale che  $x$  è nel sottoalbero sinistro di  $y$



*Molto informalmente:  
per trovare  $y$  mi basta salire dai "right"  
fino a quando risalgo un "left"*

TREE-SUCCESSOR( $x$ )

```

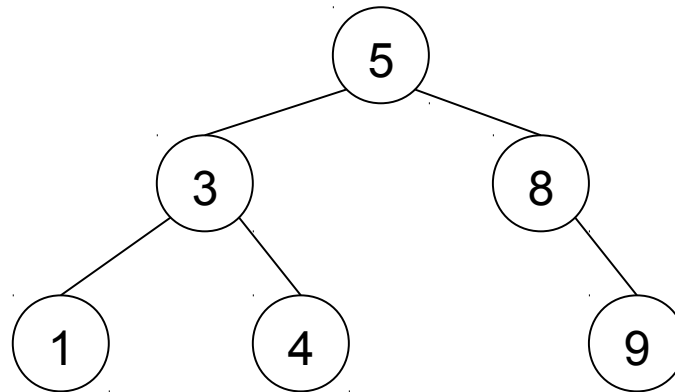
1 if  $x.right \neq \text{NIL}$ 
2   return TREE-MINIMUM( $x.right$ )
3  $y := x.p$ 
4 while  $y \neq \text{NIL}$  and  $x = y.right$ 
5    $x := y$ 
6    $y := y.p$ 
7 return  $y$ 

```

- Il tempo di esecuzione per TREE-SUCCESSOR è  $O(h)$
- Esercizio: scrivere l'algoritmo TREE-PREDECESSOR e darne la complessità

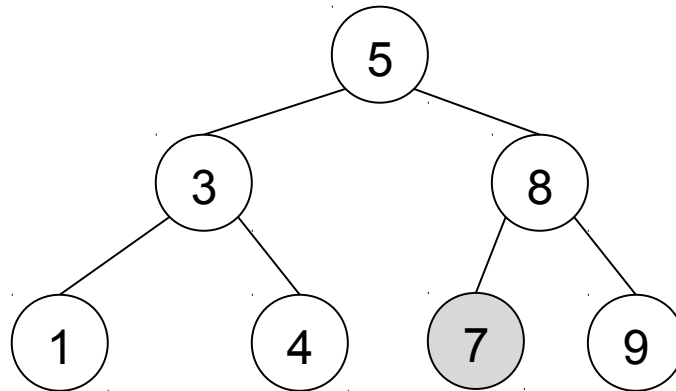
# Inserimento

- Idea di base per l'inserimento: scendere nell'albero fino a che non si raggiunge il posto in cui il nuovo elemento deve essere inserito, ed aggiungere questo come foglia
- Supponiamo, per esempio, di volere inserire un nodo con chiave 7 nell'albero seguente:





- eseguiamo i seguenti passi:
  - confrontiamo 5 con 7 e decidiamo che il nuovo elemento deve essere aggiunto al sottoalbero destro di 5
  - confrontiamo 8 con 7 e decidiamo che 7 deve essere aggiunto al sottoalbero sinistro di 8
  - notiamo che il sottoalbero sinistro di 8 è vuoto, e aggiungiamo 7 come sottoalbero sinistro di 8
- quindi, otteniamo il nuovo albero:



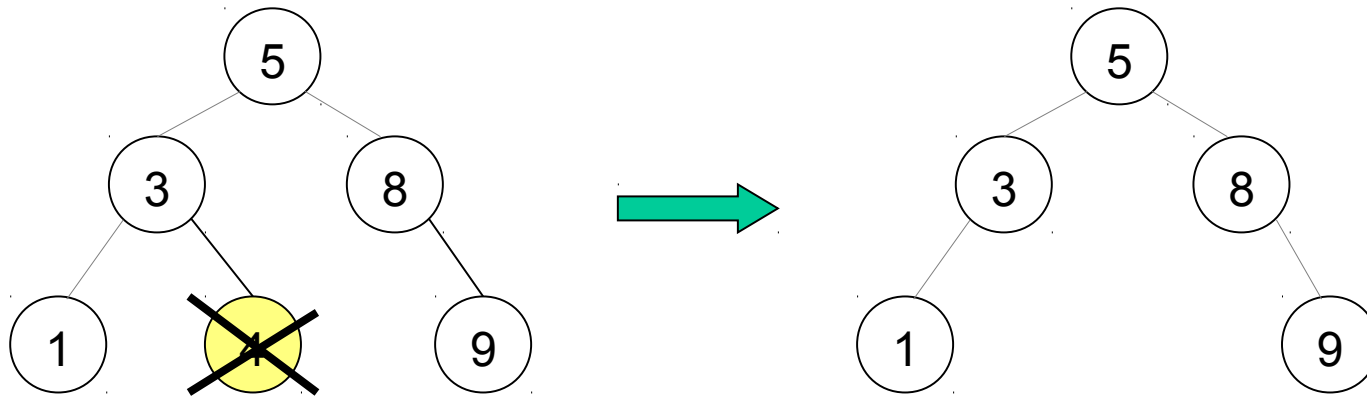
# Insert: pseudocodice

```
TREE-INSERT(T, z)
1  y := NIL
2  x := T.root
3  while x ≠ NIL
4    y := x
5    if z.key < x.key
6      x := x.left
7    else x := x.right
8  z.p := y
9  if y = NIL
10   T.root := z //l'albero T e' vuoto
11 elsif z.key < y.key
12   y.left := z
13 else y.right := z
```

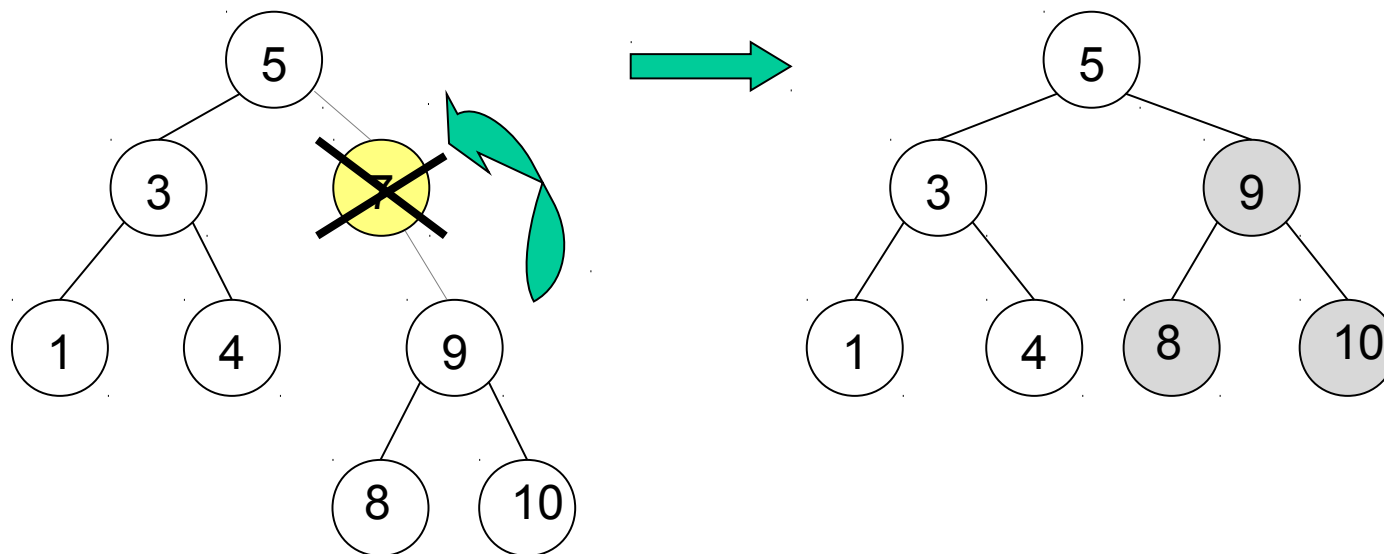
- Si noti che inseriamo un oggetto, *z*, che assumiamo sia stato inizializzato con la chiave desiderata
- Il tempo di esecuzione di TREE-INSERT è  $O(h)$ 
  - infatti, scendiamo nell'albero nel ciclo **while** (che al massimo richiede tante ripetizioni quanta è l'altezza dell'albero), e il resto (linee 8-13) si fa in tempo costante

# Cancellazione

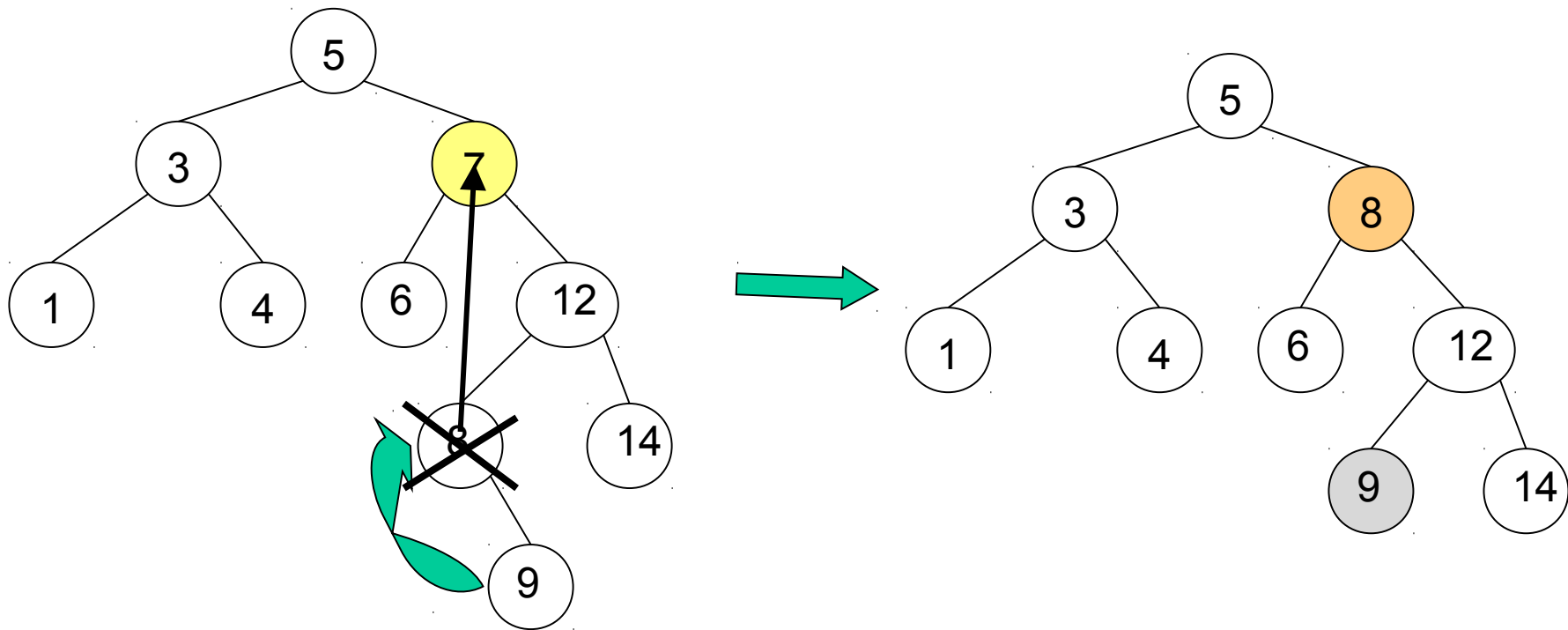
- Quando cancelliamo un oggetto  $z$  da un albero, abbiamo 3 possibili casi (a seconda che  $z$  sia una foglia o un nodo interno):
  - il nodo  $z$  da cancellare *non ha sottoalberi*
  - il nodo  $z$  da cancellare *ha 1 sottoalbero*
  - il nodo  $z$  da cancellare *ha 2 sottoalberi*
- Il caso 1 è quello più facile, basta mettere a *NIL* il puntatore del padre di  $z$  che puntava a  $z$ :



- Nel caso 2, dobbiamo spostare l'intero sottoalbero di z su di un livello:



- Nel caso 3 dobbiamo trovare il successore del nodo da cancellare z, copiare la chiave del successore in z, quindi cancellare il successore
  - cancellare il successore potrebbe richiedere di spostare un (il) sottoalbero del successore un livello su
  - si noti che in questo caso l'oggetto originario z non è cancellato, ma il suo attributo *key* viene modificato (l'oggetto effettivamente cancellato è quello con il successore di z)



# Delete: pseudocodice

TREE-DELETE( $T, z$ )

```
1  if  $z.left = \text{NIL}$  or  $z.right = \text{NIL}$ 
2     $y := z$ 
3  else  $y := \text{TREE-SUCCESSOR}(z)$ 
4  if  $y.left \neq \text{NIL}$ 
5     $x := y.left$ 
6  else  $x := y.right$ 
7  if  $x \neq \text{NIL}$ 
8     $x.p := y.p$ 
9  if  $y.p = \text{NIL}$ 
10    $T.root := x$ 
11 elsif  $y = y.p.left$ 
12    $y.p.left := x$ 
13 else  $y.p.right := x$ 
14 if  $y \neq z$ 
15    $z.key := y.key$ 
16 return  $y$ 
```

*Nota:*

*$y$  è il nodo da eliminare*

*$x$  è quello con cui lo sostituiamo*

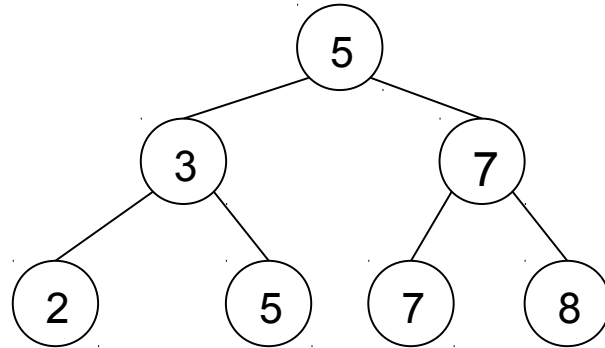
- In TREE-DELETE,  $y$  è il nodo effettivamente da cancellare
- Se  $z$  ha non più di un sottoalbero, allora il nodo  $y$  da cancellare è  $z$  stesso; altrimenti (se  $z$  ha entrambi i sottoalberi) è il suo successore (linee 1-3)
  - Si noti che  $y$  non può avere più di un sottoalbero
- nelle linee 4-6, ad  $x$  viene assegnata la radice del sottoalbero di  $y$  se  $y$  ne ha uno, *NIL* se  $y$  non ha sottoalberi
- le linee 7-13 sostituiscono  $y$  con il suo sottoalbero (che ha  $x$  come radice)
- nelle linee 14-15, se  $z$  ha 2 sottoalberi (che corrisponde caso in cui il nodo  $y$  da cancellare è il successore di  $z$ , non  $z$  stesso), la chiave di  $z$  è sostituita con quella del suo successore  $y$

# Analisi di complessità

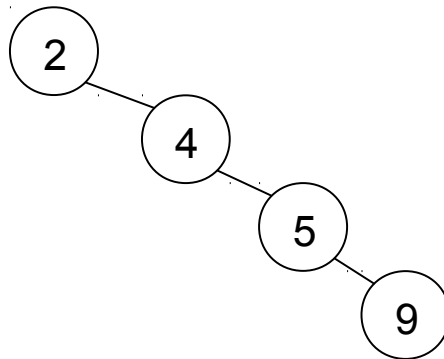
- Il tempo di esecuzione per TREE-DELETE è  $O(h)$ 
  - TREE-SUCCESSOR è  $O(h)$ , il resto è fatto in tempo costante
- Tutte le operazioni sui BST (SEARCH, MINIMUM, MAXIMUM, SUCCESSOR, PREDECESSOR, INSERT, DELETE) hanno tempo di esecuzione che è  $O(h)$ 
  - cioè, alla peggio richiedo di scendere nell'albero
- Quindi... quanto vale l'altezza di un BST (rispetto al numero dei suoi nodi)?



- Per un albero *completo*,  $h = \Theta(\log(n))$ 
  - un albero è completo se e solo se, per ogni nodo  $x$ , o  $x$  ha 2 figli, o  $x$  è una foglia, e tutte le foglie hanno la stessa profondità



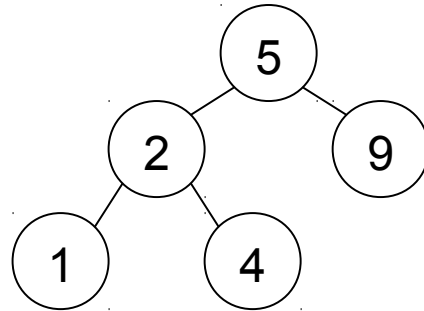
- Nel caso pessimo, però, che si ha se tutti i nodi sono “in linea”, abbiamo  $h = \Theta(n)$



# Analisi di complessità (2)

- Tuttavia, un BST non deve per forza essere completo per avere altezza  $h$  tale che  $h = \Theta(\log(n))$ 
  - abbiamo per esempio visto che questa proprietà vale anche per alberi *quasi completi*
- Abbiamo che  $h = \Theta(\log(n))$  anche per un albero *bilanciato*
  - informalmente, diciamo che un albero è bilanciato se e solo se non ci sono 2 foglie nell'albero tali che una è “molto più lontana” dalla radice dell'altra (se si trovano a profondità molto diverse)
    - ci potrebbero essere diverse nozioni di "molto più lontano"
    - una possibile definizione di albero bilanciato (Adelson-Velskii e Landis) è la seguente: un albero è *bilanciato* se e solo se, per ogni nodo  $x$  dell'albero, le altezze dei 2 sottoalberi di  $x$  differiscono al massimo di 1

- Esempio:



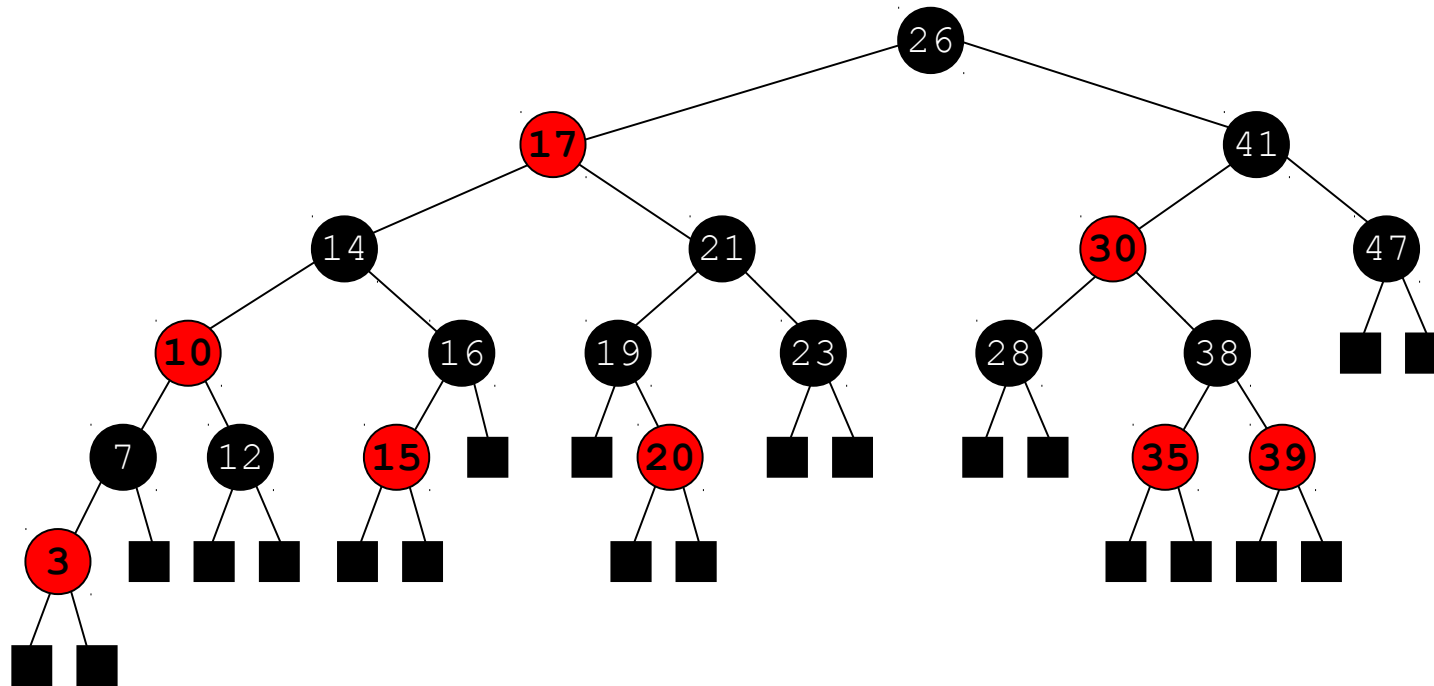
- Ci sono diverse tecniche per mantenere un albero bilanciato:
  - alberi *rosso-neri* (red-black)
  - alberi AVL
  - etc.
- Inoltre, si può dimostrare che l'altezza attesa di un albero è  $O(\log(n))$  se le chiavi sono inserite in modo casuale, con distribuzione uniforme

# Alberi rosso-neri (red-black)

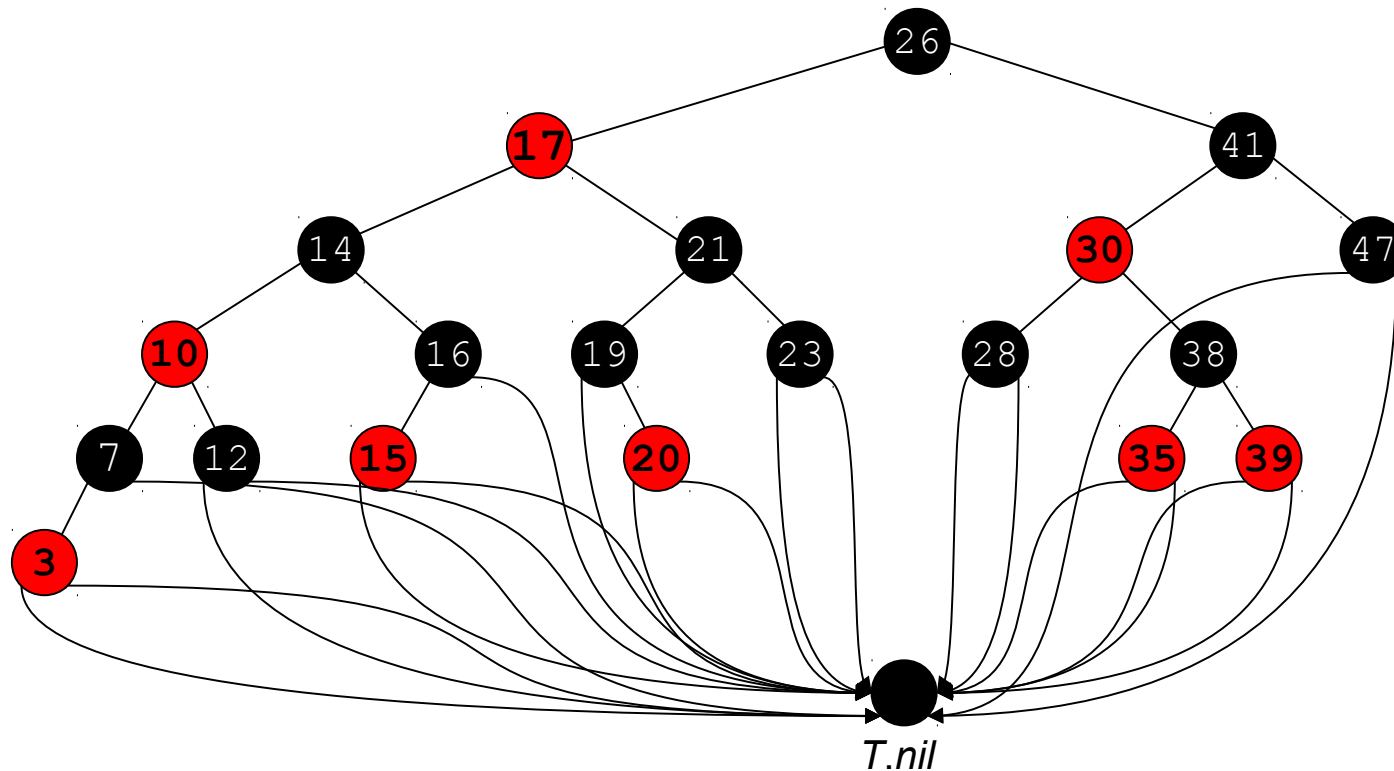
- Gli alberi rosso-neri (RB) sono BST “abbastanza” bilanciati, cioè l'altezza dell'albero  $h = O(\log(n))$  ed è possibile realizzare tutte le operazioni più importanti in tempo  $O(\log(n))$
- Negli alberi RB non si ha mai che un ramo dell'albero sia lungo più del doppio di un altro ramo
  - è una nozione di “bilanciamento” diversa da quella degli alberi AVL, ma dà comunque  $h = O(\log(n))$
- Idea alla base degli alberi RB:
  - ogni nodo ha un colore, che può essere solo rosso o nero
  - i colori sono distribuiti nell'albero in modo da garantire che nessun ramo dell'albero sia 2 volte più lungo di un altro

- Ogni nodo di un albero RB ha 5 attributi: *key*, *left*, *right*, *p*, e *color*
  - convenzione: le foglie sono i nodi NIL, tutti i nodi non NIL (che hanno quindi una chiave associata) sono nodi interni
- Un BST è un albero RB se soddisfa le seguenti 5 proprietà:
  - 1) ogni nodo è o rosso o nero
  - 2) la radice è nera
  - 3) le foglie (NIL) sono tutte nere.
  - 4) i figli di un nodo rosso sono entrambi neri
  - 5) per ogni nodo  $x$  tutti i cammini da  $x$  alle foglie sue discendenti contengono lo stesso numero  $bh(x)$  di nodi neri
    - $bh(x)$  è la **altezza nera** (black height) del nodo  $x$
    - Il nodo  $x$  non è contato in  $bh(x)$  anche se nero.

# Esempi di alberi RB



- Per comodità, per rappresentare tutte le foglie NIL, si usa un unico nodo sentinella  $T.nil$ 
  - è un nodo particolare accessibile come attributo dell'albero  $T$
  - tutti i riferimenti a NIL (compreso il padre della radice) sono sostituiti con riferimenti a  $T.nil$

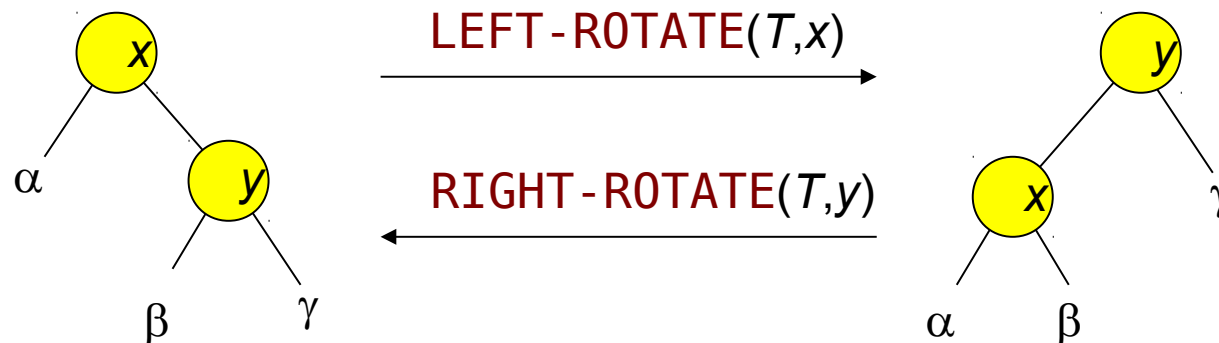


# Proprietà degli alberi RB

- Un albero rosso-nero con  $n$  nodi interni ( $n$  nodi con chiavi, per la convenzione usata) ha altezza  $h \leq 2 \log_2(n+1)$ 
  - il numero di nodi interni di un (sotto)albero con radice  $x$  è  $\geq 2^{bh(x)} - 1$ , (si dimostra per induzione sull'altezza di  $x$ )
  - per la proprietà 4, almeno metà dei nodi dalla radice  $x$  (esclusa) ad una foglia sono neri, quindi  $bh(x) \geq h/2$ , e  $n \geq 2^{h/2} - 1$ , da cui discende che  $h \leq 2 \log_2(n+1)$
- Come conseguenza di questa proprietà, SEARCH, MINIMUM, MAXIMUM, SUCCESSOR e PREDECESSOR richiedono tempo  $O(\log(n))$  se applicate ad un albero RB con  $n$  nodi
  - queste operazioni non modificano l'albero, che viene semplicemente trattato come un BST
  - il loro pseudocodice è come quello visto in precedenza



- **INSERT** e **DELETE** si possono anch'esse fare con complessità  $O(\log(n))$ , ma devono essere modificate rispetto a quelle viste prima
  - devono essere tali da mantenere le 5 proprietà degli alberi RB
- Il meccanismo fondamentale per realizzare **INSERT** e **DELETE** è quello delle *rotazioni*: verso sinistra (**LEFT-ROTATE**) o verso destra (**RIGHT-ROTATE**)



# Pseudocodice per rotazioni

```
LEFT-ROTATE(T,x)
1  y := x.right
2  x.right := y.left //il sottoalbero sinistro di y
                       //diventa quello destro di x
3  if y.left ≠ T.nil
4    y.left.p := x
5  y.p := x.p //attacca il padre di x a y
6  if x.p = T.nil
7    T.root := y
8  elseif x = x.p.left
9    x.p.left := y
10 else x.p.right := y
11 y.left := x //mette x a sinistra di y
12 x.p := y
```

- Una rotazione su un BST mantiene la proprietà di essere BST
- Esercizio per casa: scrivere lo pseudocodice per RIGHT-ROTATE

# RB - INSERT

- L'inserimento è fatto in modo analogo a quello dei BST, ma alla fine occorre ristabilire le proprietà dagli alberi RB se queste sono state violate
  - per ristabilire le proprietà si usa un algoritmo RB-INSERT-FIXUP (che vedremo dopo)
- Uguale a TREE-INSERT, salvo che per l'uso di *T.nil* al posto di NIL e l'aggiunta delle righe 14-17:

```

RB-INSERT(T, z)
1  y := T.nil           // y padre del nodo considerato
2  x := T.root         // nodo considerato
3  while x ≠ T.nil
4      y := x
5      if z.key < x.key
6          x := x.left
7      else x := x.right
8  z.p := y
9  if y = T.nil
10     T.root := z    //l'albero T e' vuoto
11  elsif z.key < y.key
12     y.left := z
13  else y.right := z
14  z.left := T.nil
15  z.right := T.nil
16  z.color := RED
17  RB-INSERT-FIXUP(T, z)

```

```

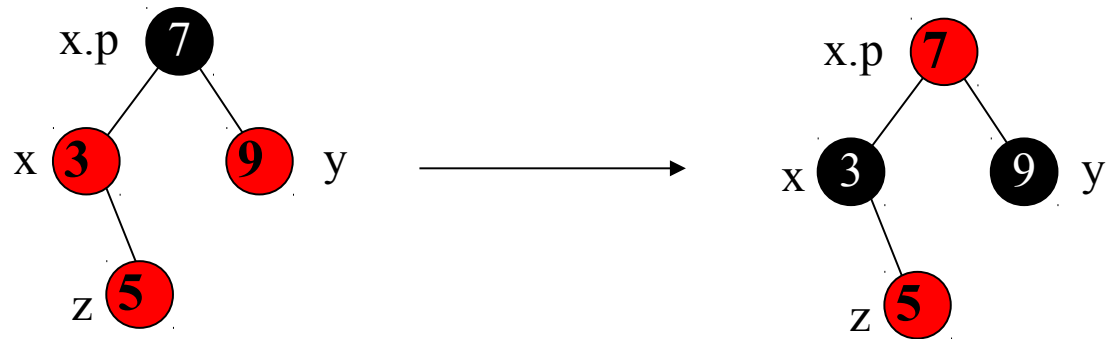
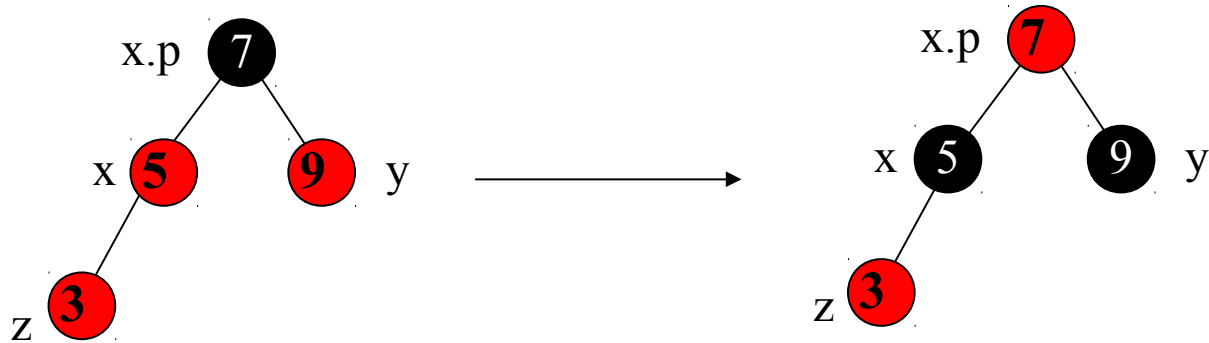
RB-INSERT-FIXUP(T, z)
1  if z = T.root
2    T.root.color = BLACK
3  else x := z.p           // x e' il padre di z
4    if x.color = RED
5      if x = x.p.left     // se x e' figlio sin.
6        y := x.p.right   // y e' fratello di x
7        if y.color = RED
8          x.color := BLACK // Caso 1
9          y.color := BLACK // Caso 1
10         x.p.color := RED // Caso 1
11         RB-INSERT-FIXUP(T,x.p) // Caso 1
12       else if z = x.right
13         z := x           // Caso 2
14         LEFT-ROTATE(T, z) // Caso 2
15         x := z.p        // Caso 2
16         x.color := BLACK // Caso 3
17         x.p.color := RED // Caso 3
18         RIGHT-ROTATE(T, x.p) // Caso 3
19       else (come 6-18, scambiando "right"↔"left")

```

- RB-INSERT-FIXUP è invocato sempre su un nodo  $z$  tale che  $z.color = RED$ 
  - per questo motivo, se la condizione alla linea 4 è non verificata (cioè se il padre di  $z$  è di colore nero) non ci sono ulteriori modifiche da fare
- Ora vediamo come funziona:

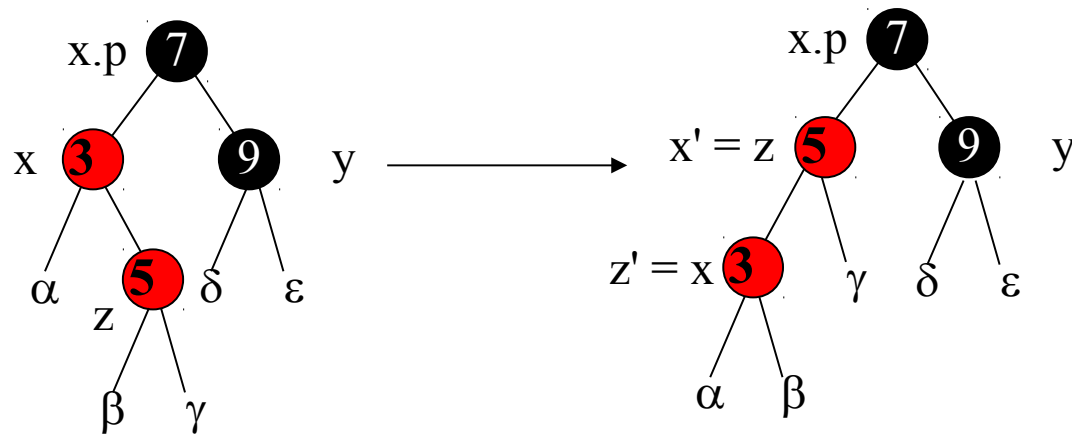
## Funzionamento:

- Caso 1: y rosso



- quindi ripeto la procedura su  $x.p$ , in quanto il padre di  $x.p$  potrebbe essere di colore rosso, nel qual caso la proprietà 4 degli alberi RB non sarebbe (ancora) verificata

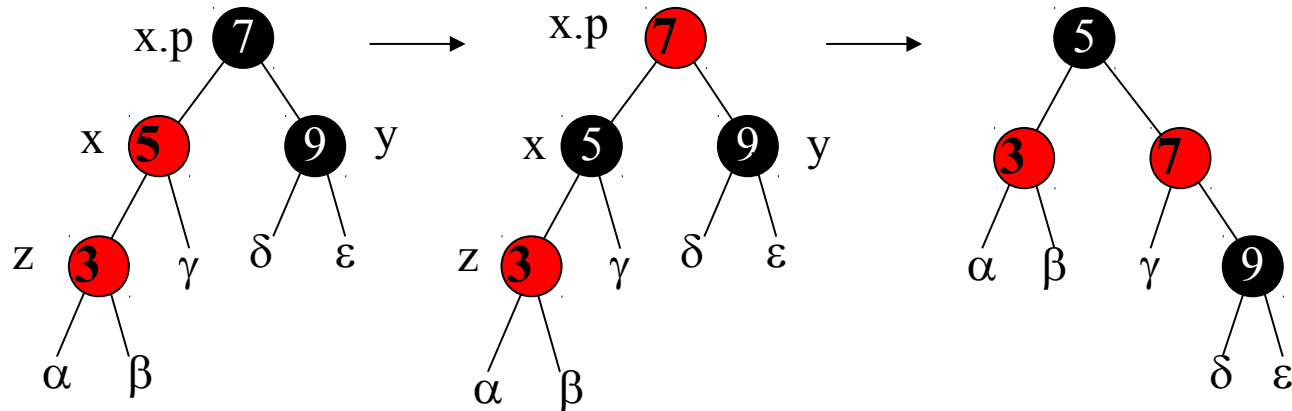
- Caso 2:  $y$  nero e  $z$  figlio destro di  $x$



- a questo punto ci siamo messi nel caso 3



- Caso 3:  $y$  nero e  $z$  figlio sinistro di  $x$



- *Ogni volta che  $RB-INSERT-FIXUP$  viene invocato esso può o terminare (casi 2 e 3), o venire applicato ricorsivamente risalendo 2 livelli nell'albero (caso 1)*
  - quindi può essere invocato al massimo  $O(h)$  volte, cioè  $O(\log(n))$
  - si noti che una catena di invocazioni di  $RB-INSERT-FIXUP$  esegue al massimo 2 rotazioni (l'ultima chiamata)

```

RB-DELETE(T, z)
1  if z.left = T.nil or z.right = T.nil
2    y := z
3  else y := TREE-SUCCESSOR(z)
4  if y.left ≠ T.nil
5    x := y.left
6  else x := y.right
7  x.p := y.p           // x potrebbe essere T.nil
8  if y.p = T.nil
9    T.root := x
10 elseif y = y.p.left
11   y.p.left := x
12 else y.p.right := x
13 if y ≠ z
14   z.key := y.key
15 if y.color = BLACK
16   RB-DELETE-FIXUP(T,x)
17 return y

```

- Uguale a TREE - DELETE, salvo che per l'uso di *T.nil* al posto di NIL (che permette l'eliminazione dell'if alla linea 7), e l'aggiunta delle righe 15-16
- Se viene cancellato un nodo rosso (cioè se  $y.color = RED$ ) non c'è bisogno di modificare i colori dei nodi
- per come è fatto RB - DELETE, viene cancellato un nodo ( $y$ ) che ha al massimo un figlio diverso da *T.nil*, e se  $y.color = RED$  il nodo  $x$  che prende il posto di  $y$  è per forza nero

```

RB-DELETE-FIXUP(T, x)
1  if x.color = RED or x.p = T.nil
2    x.color := BLACK           // Caso 0
3  elsif x = x.p.left          // x e' figlio sinistro
4    w := x.p.right            // w e' fratello di x
5    if w.color = RED
6      w.color := BLACK        // Caso 1
7      x.p.color := RED        // Caso 1
8      LEFT-ROTATE(T,x.p)      // Caso 1
9      w := x.p.right          // Caso 1
10 if w.left.color = BLACK and w.right.color = BLACK
11   w.color := RED            // Caso 2
12   RB-DELETE-FIXUP(T,x.p)    // Caso 2
13 else if w.right.color = BLACK
14     w.left.color := BLACK    // Caso 3
15     w.color := RED           // Caso 3
16     ROTATE-RIGHT(T,w)       // Caso 3
17     w := x.p.right          // Caso 3
18     w.color := x.p.color     // Caso 4
19     x.p.color := BLACK       // Caso 4
20     w.right.color := BLACK   // Caso 4
21     ROTATE-LEFT(T,x.p)      // Caso 4
19 else (come 4-21, scambiando "right"↔"left")

```

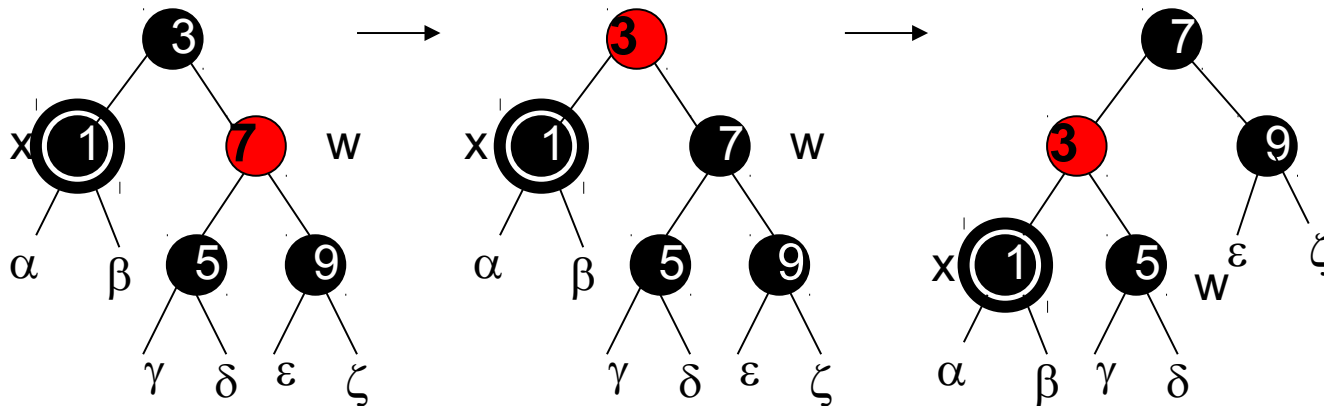
*Idea: il nodo x passato come argomento si porta dietro un "nero in più", che, per fare quadrare i conti, può essere eliminato solo a certe condizioni*

# Funzionamento di RB-DELETE-FIXUP

- Caso 0:  $x$  è un nodo rosso, oppure è la radice

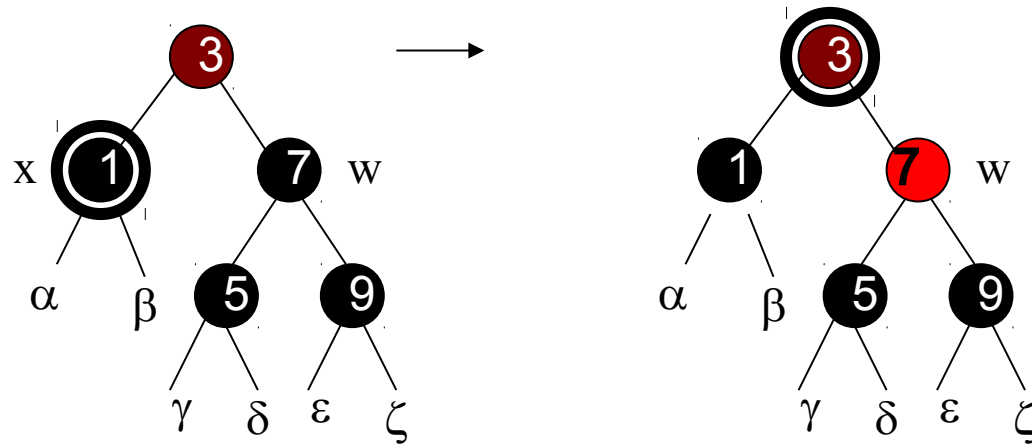


- Caso 1:  $x$  è un nodo nero, il suo fratello destro  $w$  è rosso, e di conseguenza il padre  $x.p$  è nero



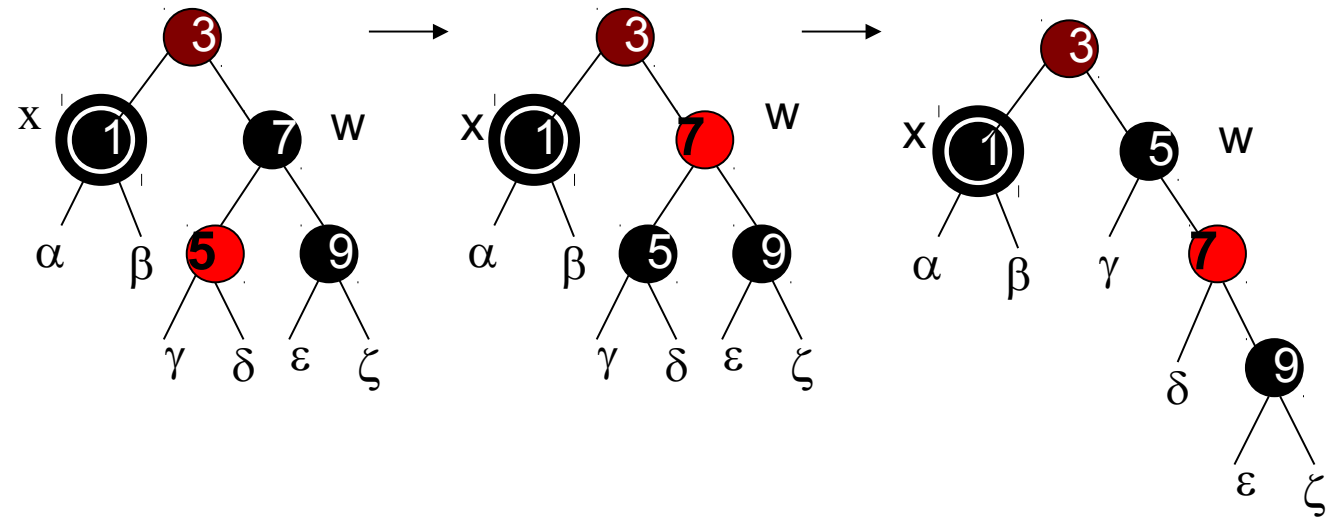
- diventa o il caso 2, o il caso 3, o il caso 4

- Caso 2:  $x$  è nero, suo fratello destro  $w$  è nero con figli entrambi neri



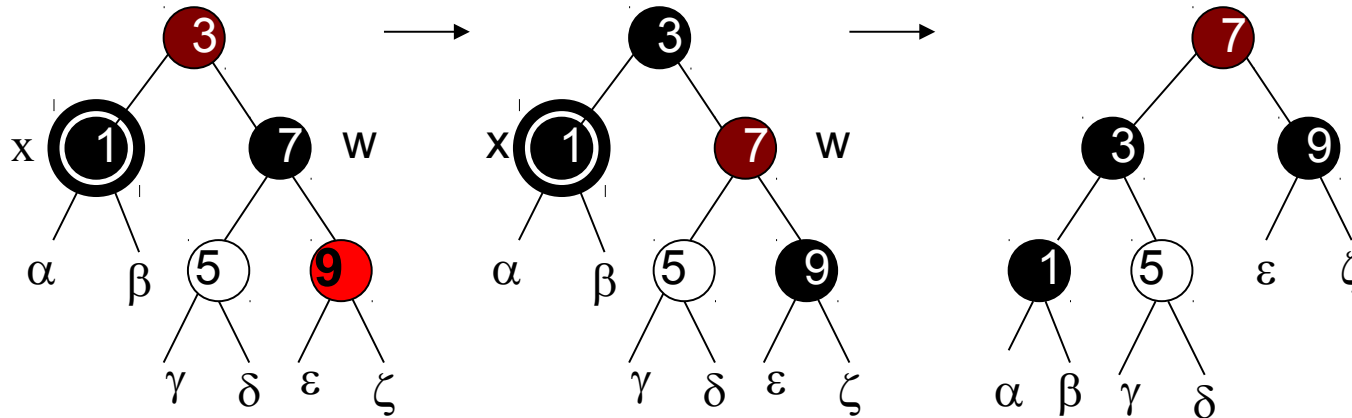
- se arriviamo al caso 2 dal caso 1, allora  $x.p$  è rosso, e quando RB-DELETE-FIXUP viene invocato su di esso termina subito (arriva subito al caso 0)

- Caso 3:  $x$  è nero, suo fratello destro  $w$  è nero con figlio sinistro rosso e figlio destro nero



diventa il caso 4

- Caso 4:  $x$  è nero, suo fratello destro  $w$  è nero con figlio destro rosso



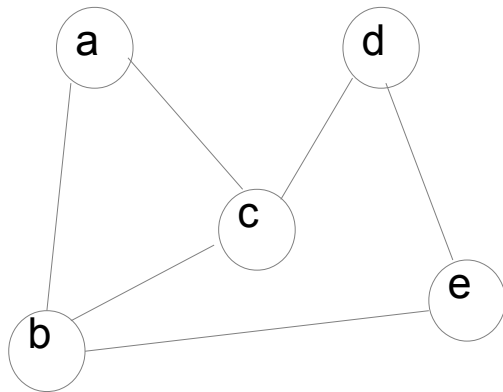
- Ogni volta che RB-DELETE-FIXUP viene invocato esso può o terminare (casi 0, 1, 3 e 4), o venire applicato ricorsivamente risalendo un livello nell'albero (caso 2 non proveniente da 1)
  - quindi può essere invocato al massimo  $O(h)$  volte, cioè  $O(\log(n))$
  - si noti che una catena di invocazioni di RB-DELETE-FIXUP esegue al massimo 3 rotazioni (se il caso 1 diventa 3 e poi 4)



# Richiamo sui grafi

- Un grafo è una coppia  $G = (V, E)$ , in cui:
  - $V$  è un insieme di *nodi* (detti anche *vertici*)
  - $E$  è un insieme di *archi* (detti anche *lati*, o *edges*)
- Un arco è una connessione tra 2 vertici
  - 2 vertici connessi da un arco sono detti *adiacenti*
  - se un arco  $e$  connette 2 vertici  $u$  e  $v$ , può essere rappresentato dalla coppia  $(u, v)$  di vertici che connette
    - quindi,  $E \subseteq V^2$
- $|V|$  è il numero di vertici nel grafo, mentre  $|E|$  è il numero di archi
  - $0 \leq |E| \leq |V|^2$

- Ci sono 2 tipi di grafi: *orientati* e *non orientati*
  - in un grafo non orientato, un arco  $(u, v)$  è lo stesso di  $(v, u)$  (non c'è nozione di direzione da un nodo all'altro)
  - In un grafo orientato  $(u, v)$  "va dal" nodo  $u$  al nodo  $v$ , ed è diverso da  $(v, u)$

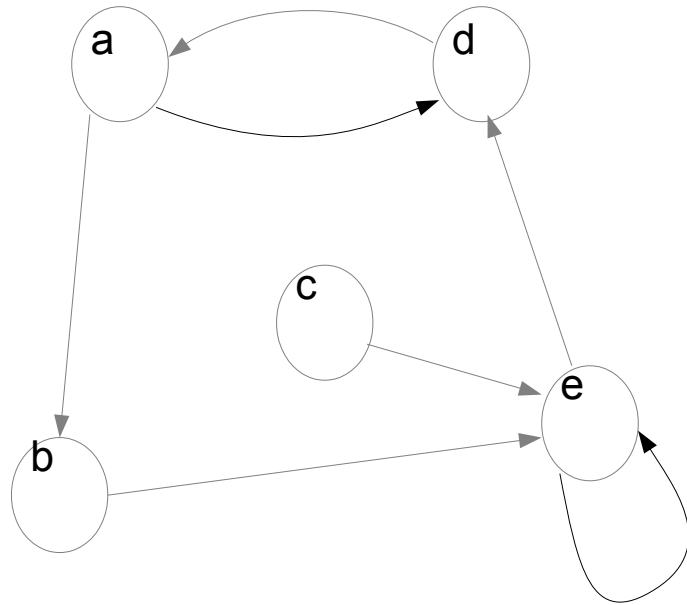


$$V = \{a, b, c, d, e\}$$

$$E = \{(b, a) (a, c) (b, c) (d, c) (e, d) (b, e)\}$$

- L'ordine dei vertici negli archi è irrilevante

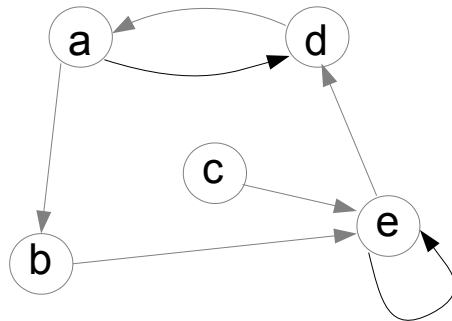
# esempio di grafo orientato



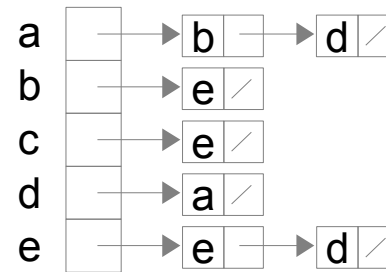
$V = \{a, b, c, d, e\}$   
 $E = \{(a, b) (a, d) (d, a) (b, e)$   
 $(c, e) (e, d), (e, e)\}$

# Rappresentazione di grafi in memoria

- 2 tecniche principali:
  - liste di adiacenza
  - matrice di adiacenza
- Grafo orientato



$V = \{a, b, c, d, e\}$   
 $E = \{(a, b) (a, d) (d, a) (b, e)$   
 $(c, e) (e, d), (e, e)\}$



Liste ad.

	a	b	c	d	e
a	0	1	0	1	0
b	0	0	0	0	1
c	0	0	0	0	1
d	1	0	0	0	0
e	0	0	0	1	1

Matrice ad.

- Nel caso di liste di adiacenza abbiamo un array di liste
  - c'è una lista per ogni nodo del grafo
  - per ogni vertice  $v$ , la lista corrispondente contiene i vertici adiacenti a  $v$
- In una matrice di adiacenza  $M$ , l'elemento  $m_{ij}$  è 1 se c'è un arco dal nodo  $i$  al nodo  $j$ , 0 altrimenti
- In entrambi i casi, dato un nodo  $u$  in un grafo  $G$ , l'attributo  $u.Adj$  rappresenta l'insieme di vertici adiacenti a  $u$
- Quanto è grande una rappresentazione con liste di adiacenza?
  - il numero totale di elementi nelle liste è  $|E|$
  - il numero di elementi nell'array è  $|V|$
  - la complessità *spaziale* è  $\Theta(|V| + |E|)$
- Quanto è grande la matrice di adiacenza?
  - la dimensione della matrice è  $|V|^2$ , quindi la sua complessità è  $\Theta(|V|^2)$

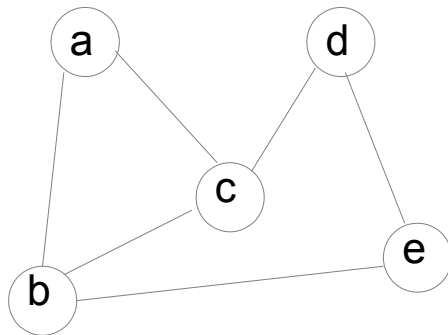
- Le liste di adiacenza sono in generale migliori quando  $|E| \neq \Theta(|V|^2)$ , cioè quando il grafo è *sparso* (quando il numero di nodi connessi “non è tanto grande”)
  - si ricordi che  $|E| \leq |V|^2$ , cioè  $|E| = O(|V|^2)$
- Se il grafo è *completo* (o quasi), tanto vale usare una matrice di adiacenza
  - un grafo orientato è completo se, per ogni coppia di nodi  $u$  e  $v$ , sia l'arco  $(u, v)$  che l'arco  $(v, u)$  sono in  $E$

- Quale è la complessità temporale per determinare se un arco  $(u, v)$  appartiene al grafo:
  - quando il grafo è rappresentato mediante liste di adiacenza?
  - quando il grafo è rappresentato con una matrice di adiacenza?
- Quale è la complessità temporale per determinare il numero di archi che escono da un nodo  $u$  del grafo
  - quando il grafo è rappresentato mediante liste di adiacenza?
  - quando il grafo è rappresentato con una matrice di adiacenza?

# Rappresentazione di grafi (cont.)

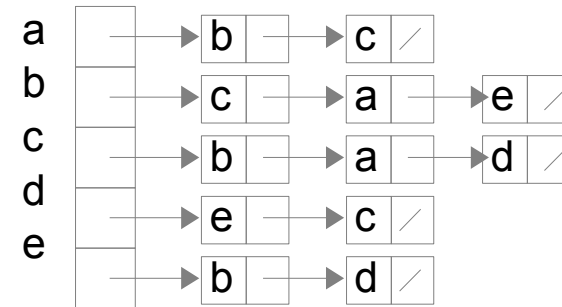
- Possiamo rappresentare un arco  $(u, v)$  di un grafo non orientato come 2 archi orientati, uno che va da  $u$  a  $v$ , ed uno che va da  $v$  ad  $u$

- es:



$$V = \{a, b, c, d, e\}$$

$$E = \{(b, a) (a, c) (b, c) (d, c) (e, d) (b, e)\}$$



	a	b	c	d	e
a	0	1	1	0	0
b	1	0	1	0	1
c	1	1	0	1	0
d	0	0	1	0	1
e	0	1	0	1	0

*la matrice di adiacenza è simmetrica, quindi tutta l'informazione che serve per descrivere il grafo si trova sopra la diagonale principale*



# Visita in ampiezza (Breadth-First Search)

- Problema:
  - *input*: un grafo  $G$ , e un nodo  $s$  (la sorgente) di  $G$
  - *output*: visitare tutti i nodi di  $G$  che sono *raggiungibili* da  $s$  (un nodo  $u$  è raggiungibile da  $s$  se c'è un *cammino* nel grafo che va da  $s$  a  $u$ )
- Algoritmo: Breadth-First Search (BFS)
- Idea dell'algoritmo: prima visitiamo tutti i nodi che sono a distanza 1 da  $s$  (cioè che hanno un cammino di lunghezza 1 da  $s$ ), quindi visitiamo quelli a distanza 2, quindi quelli a distanza 3, e così via
- Quando visitiamo un nodo  $u$ , teniamo traccia della sua distanza da  $s$  in un attributo  $u.dist$

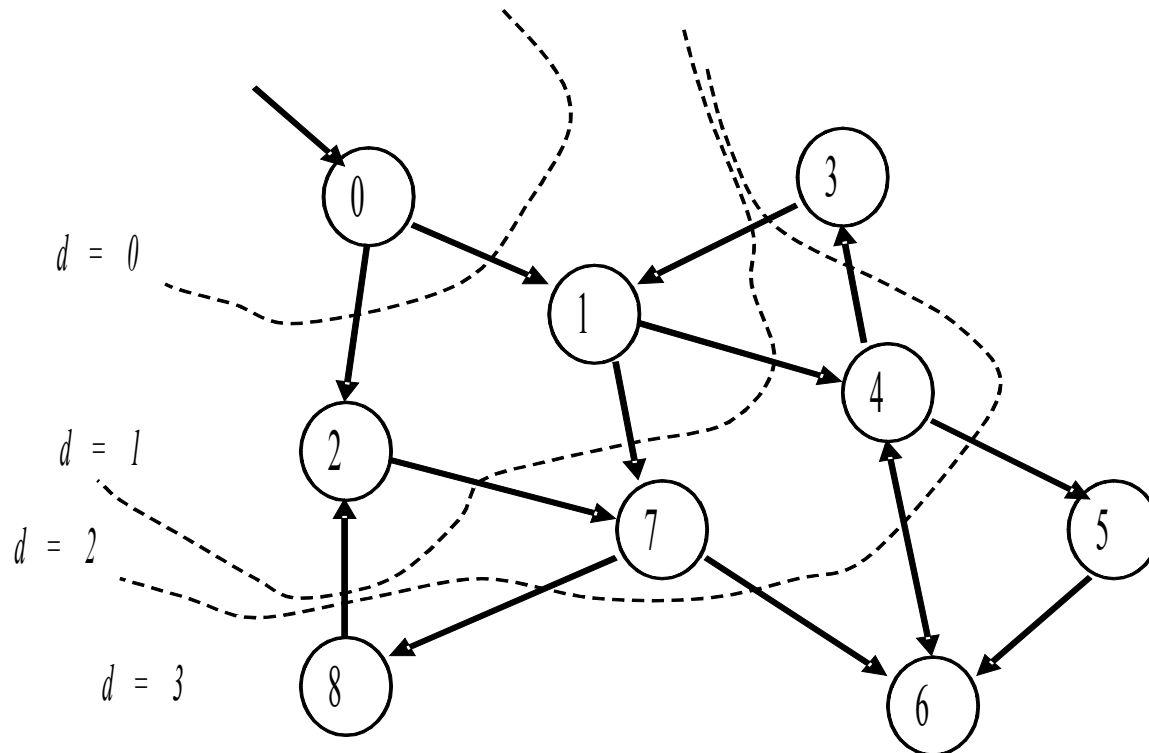
- Mentre visitiamo i nodi, li *coloriamo* (cioè li marchiamo per tenere traccia della progressione dell'algoritmo)
  - un nodo è *bianco* se deve essere ancora visitato
  - un nodo è *grigio* se lo abbiamo già visitato, ma dobbiamo ancora completare la visita dei nodi ad esso adiacenti
  - un nodo è *nero* dopo che abbiamo visitato tutti i suoi nodi adiacenti
- L'algoritmo in breve:
  - all'inizio tutti i nodi sono bianchi, tranne  $s$  (la sorgente), che è grigio
  - manteniamo i nodi di cui dobbiamo ancora visitare i nodi adiacenti in una *coda* (che è gestita con politica FIFO!)
    - all'inizio la coda contiene solo  $s$
  - a ogni iterazione del ciclo, eliminiamo dalla coda un elemento  $u$ , e ne visitiamo i nodi adiacenti che sono ancora bianchi (cioè che devono essere ancora visitati)
    - Si noti che, se  $u.dist$  è la distanza del nodo  $u$  da  $s$ , la distanza dei nodi bianchi adiacenti ad  $u$  è  $u.dist+1$

Esempio di utilizzo:

$G = [[1,2],[7,4],[7],[1],[3,5,6],[6],[4],[8,6],[2]]$

BFS( $G, 0$ )      *distanze dal nodo 0*

[0, 1, 1, 3, 2, 3, 3, 2, 3]



# BFS: pseudocode

```
BFS( $G, s$ )
1  for each  $u \in G.V - \{s\}$ 
2     $u.color := \text{WHITE}$ 
3     $u.dist := \infty$ 
4   $s.color := \text{GREY}$ 
5   $s.dist := 0$ 
6   $Q := \emptyset$ 
7  ENQUEUE( $Q, s$ )
8  while  $Q \neq \emptyset$ 
9     $u := \text{DEQUEUE}(Q)$ 
10  for each  $v \in u.Adj$ 
11    if  $v.color = \text{WHITE}$ 
12       $v.color := \text{GRAY}$ 
13       $v.dist := u.dist + 1$ 
14      ENQUEUE( $Q, v$ )
15   $u.color := \text{BLACK}$ 
```

- Le linee 1-7 sono la fase di inizializzazione dell'algoritmo (che ha complessità  $O(|V|)$ )
- Le linee 8-15 sono quelle che effettivamente visitano i nodi; ogni nodo nel grafo  $G$  è accodato (e tolto dalla coda) al massimo una volta, quindi, nel ciclo **for** della linea 10, ogni lato è visitato al massimo una volta; quindi, la complessità del ciclo **while** è  $O(|E|)$
- La complessità totale di BFS è  $O(|V| + |E|)$

# Ricerca in profondità (Depth-First Search)

- BFS si basa sull'idea di visitare i nodi con una politica FIFO (che è realizzata mediante una coda)
- Come alternativa possiamo usare una politica LIFO
- Se usiamo una politica LIFO, otteniamo un algoritmo di visita in profondità (*depth-first search*, DFS)
  - l'idea in questo caso è che, ogni volta che “mettiamo un nodo in cima allo stack”, immediatamente cominciamo a visitare i nodi a lui adiacenti
    - cioè continuiamo con la visita dei nodi che sono adiacenti a quello che da meno tempo è nello stack
    - in BFS non è così: visitiamo i nodi che sono adiacenti a quello che da più tempo è nella coda
  - è quindi sufficiente, per ottenere un algoritmo di DFS, cambiare ENQUEUE con PUSH, e DEQUEUE con POP nell'algoritmo di BFS.

- In realtà, l'algoritmo DFS che vediamo risolve un problema leggermente diverso da BFS
- Problema risolto dall'algoritmo DFS
  - *input*: un grafo  $G$
  - *output*: visitare *tutti* i nodi di  $G$ 
    - nell'algoritmo BFS di prima visitiamo solo i nodi che sono raggiungibili dalla sorgente  $s$ !
- DFS è spesso usato come parte (cioè come sottoalgoritmo) di un algoritmo più complesso (da cui il problema leggermente diverso da quello risolto da BFS)

# DFS: considerazioni

- Come in BFS, in DFS coloriamo i nodi di bianco, grigio e nero (con lo stesso significato che in BFS)
- Come detto in precedenza, questa volta usiamo una politica di visita LIFO, quindi usiamo un meccanismo analogo a quello dello stack
  - in questo caso, il meccanismo a pila viene dal fatto che l'algoritmo è ricorsivo
- L'algoritmo DFS tiene traccia di “quando” i nodi sono messi sullo stack ed anche di “quando” sono tolti da esso
  - c'è una variabile (globale), *time*, che è messa a 0 nella fase di inizializzazione dell'algoritmo, e che è incrementata di 1 sia appena dopo un nodo è messo sullo stack che appena prima di togliere un nodo dallo stack
  - usiamo la variabile *time* per tenere traccia di 2 altri valori:
    - il “tempo” di quando inizia la “scoperta” (discovery) di un nodo, ed il “tempo” di quando la scoperta termina
    - l'inizio della scoperta di un nodo  $u$  è memorizzata nell'attributo  $u.d$ , mentre la sua fine nell'attributo  $u.f$



DFS( $G$ )

```
1 for each  $u \in G.V$ 
2    $u.color := WHITE$ 
3  $time := 0$ 
4 for each  $u \in G.V$ 
5   if  $u.color = WHITE$ 
6     DFS-VISIT( $u$ )
```

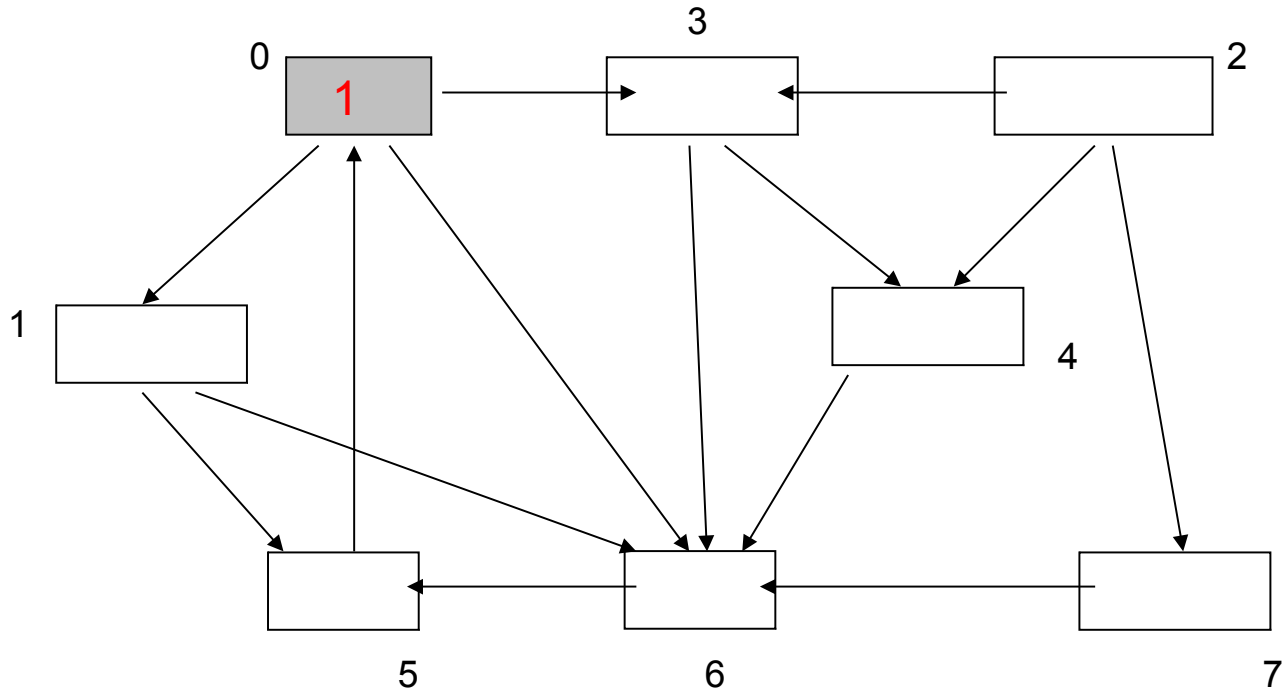
DFS-VISIT( $u$ )

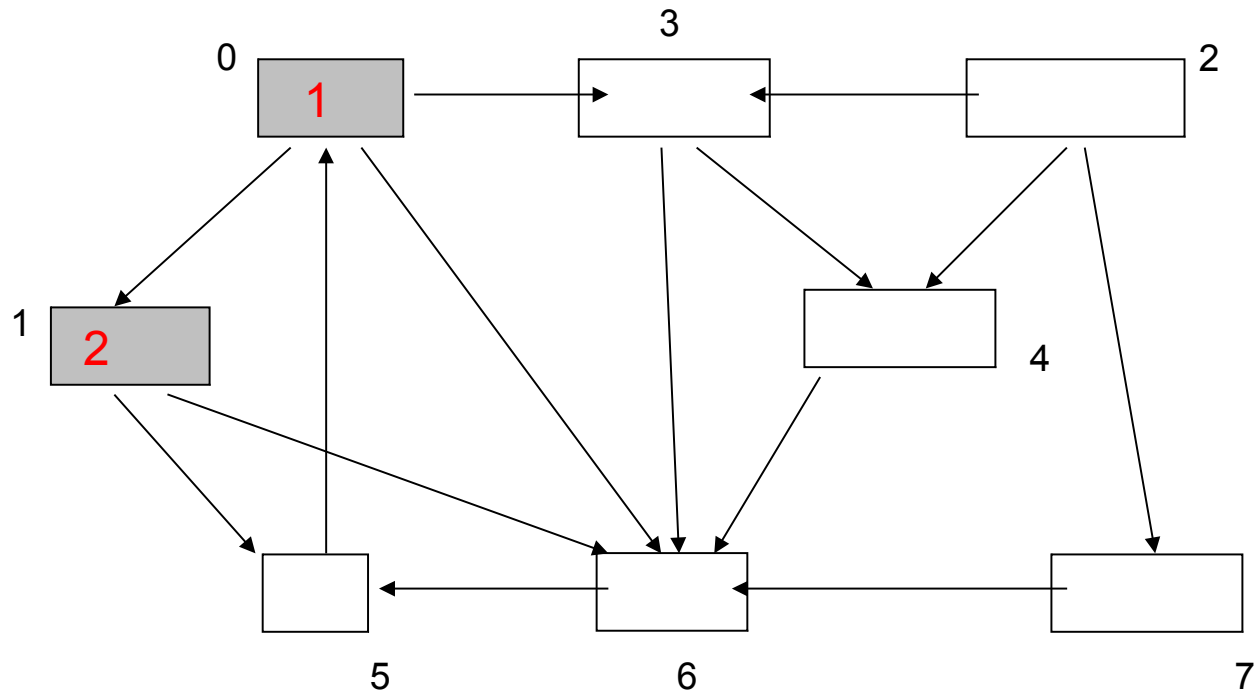
```
1  $u.color := GRAY$ 
2  $time := time + 1$ 
3  $u.d := time$ 
4 for each  $v \in u.Adj$ 
5   if  $v.color = WHITE$ 
6     DFS-VISIT( $v$ )
7  $u.color := BLACK$ 
8  $u.f := time := time + 1$ 
```

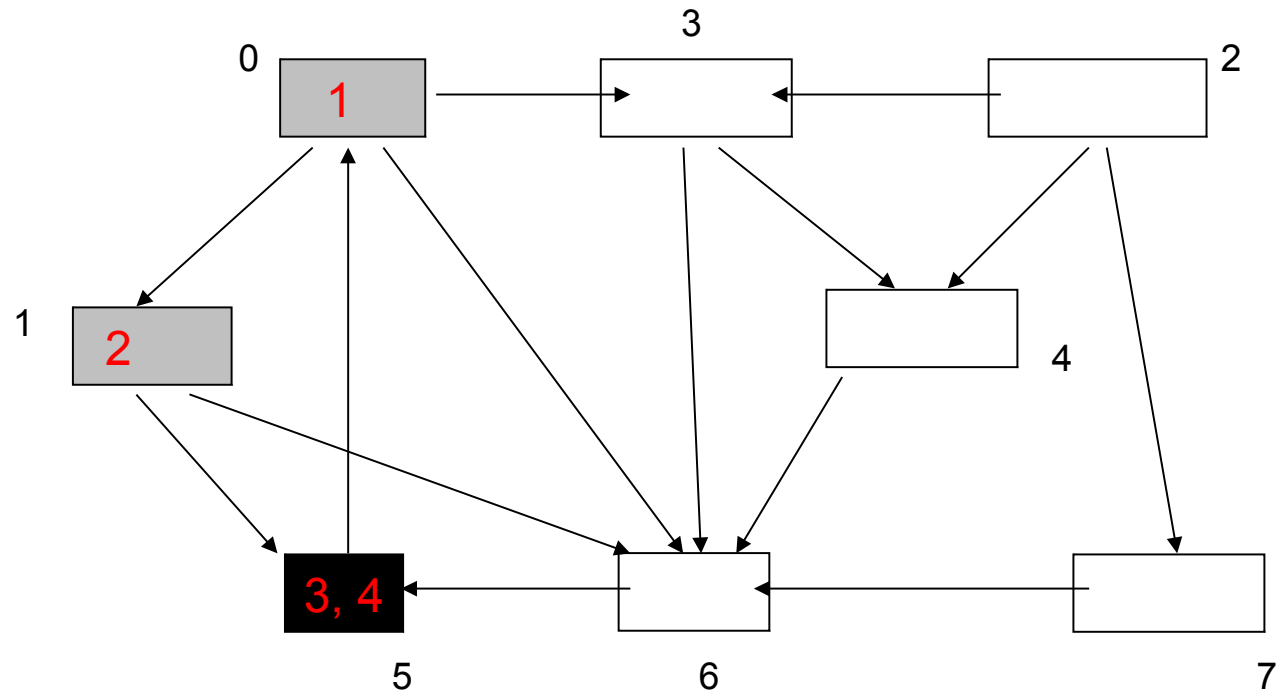
- Le linee 1-3 di DFS inizializzano i nodi colorandoli tutti di bianco, e mette il tempo a 0: tempo di esecuzione  $\Theta(|V|)$
- L'algoritmo DFS-VISIT è ripetuto (linee 4-6 di DFS) fino a che non ci sono più nodi da visitare
  - come in BFS, ogni nodo è “messo sullo stack” (che in questo caso corrisponde ad invocare DFS-VISIT sul nodo) solo una volta
  - quindi, ogni lato è visitato esattamente una volta durante l'esecuzione del ciclo **for** delle linee 4-6 di DFS, quindi queste prendono tempo  $\Theta(|E|)$
- In tutto, la complessità di DFS è  $\Theta(|V| + |E|)$

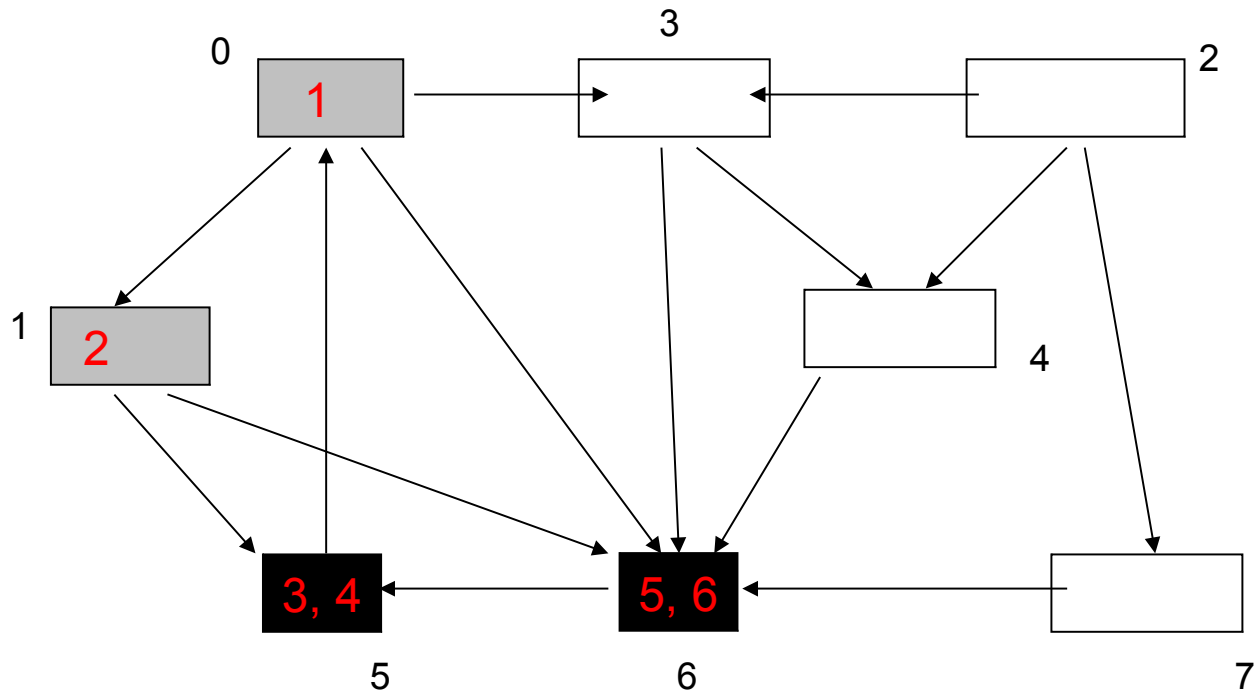
## Esempio:

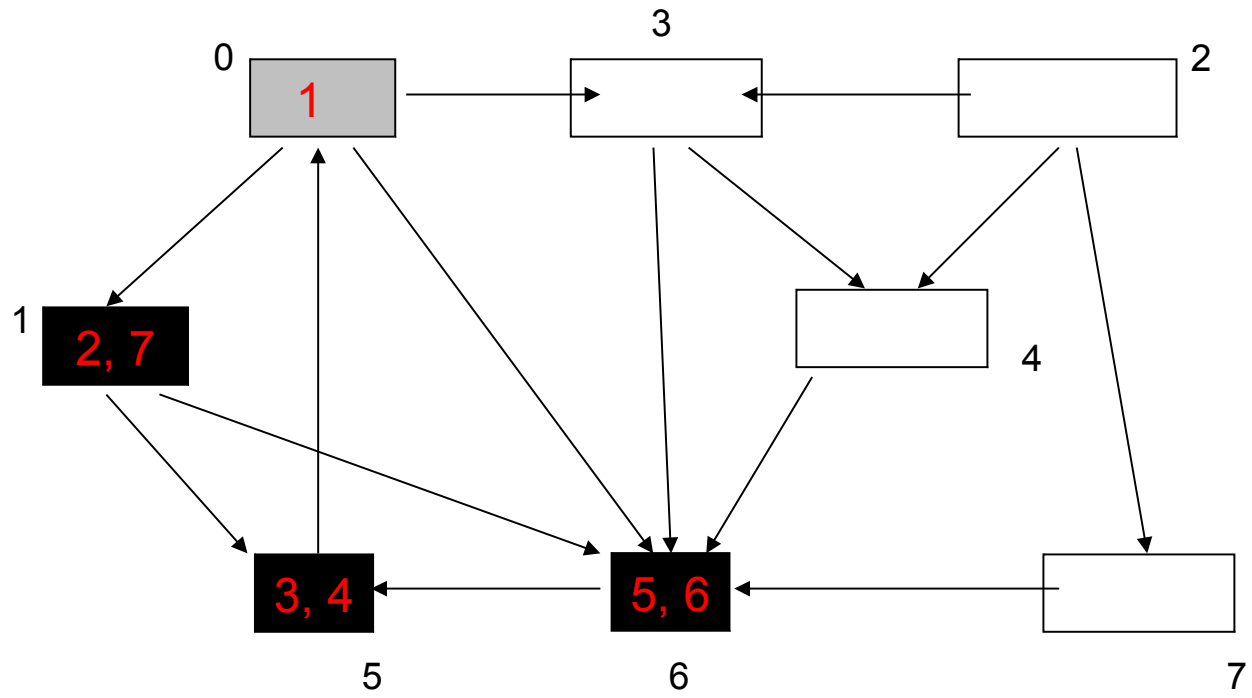
- per ogni nodo: d, f

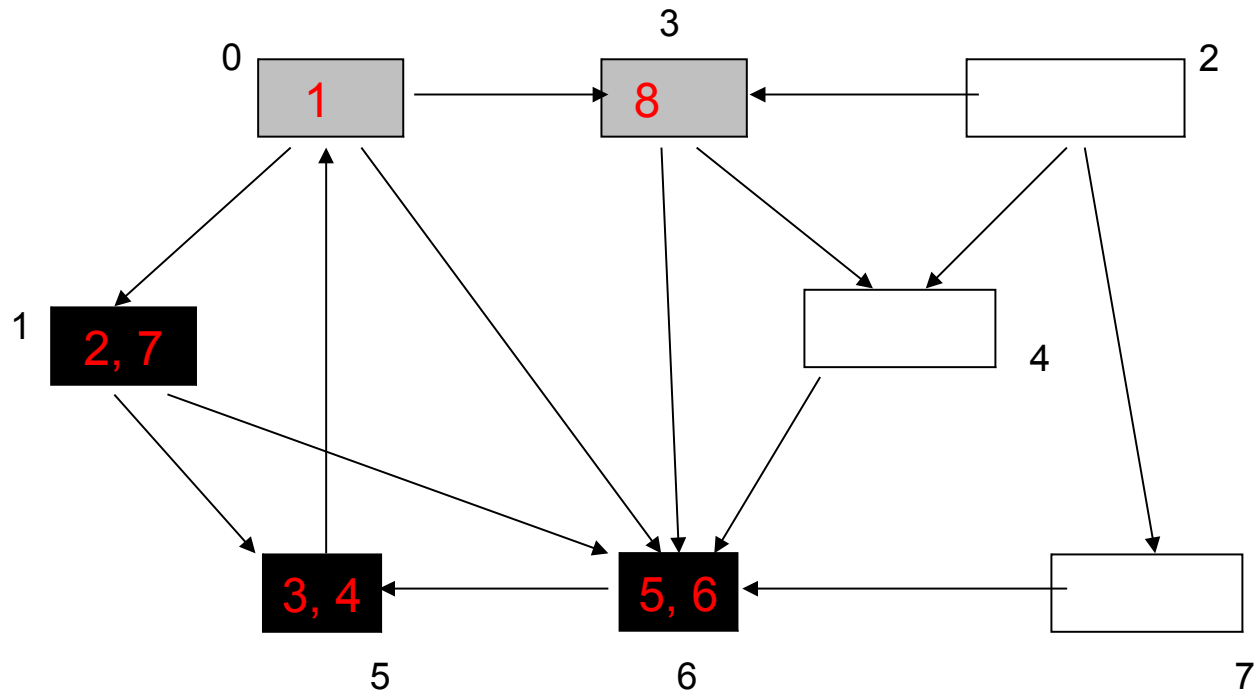


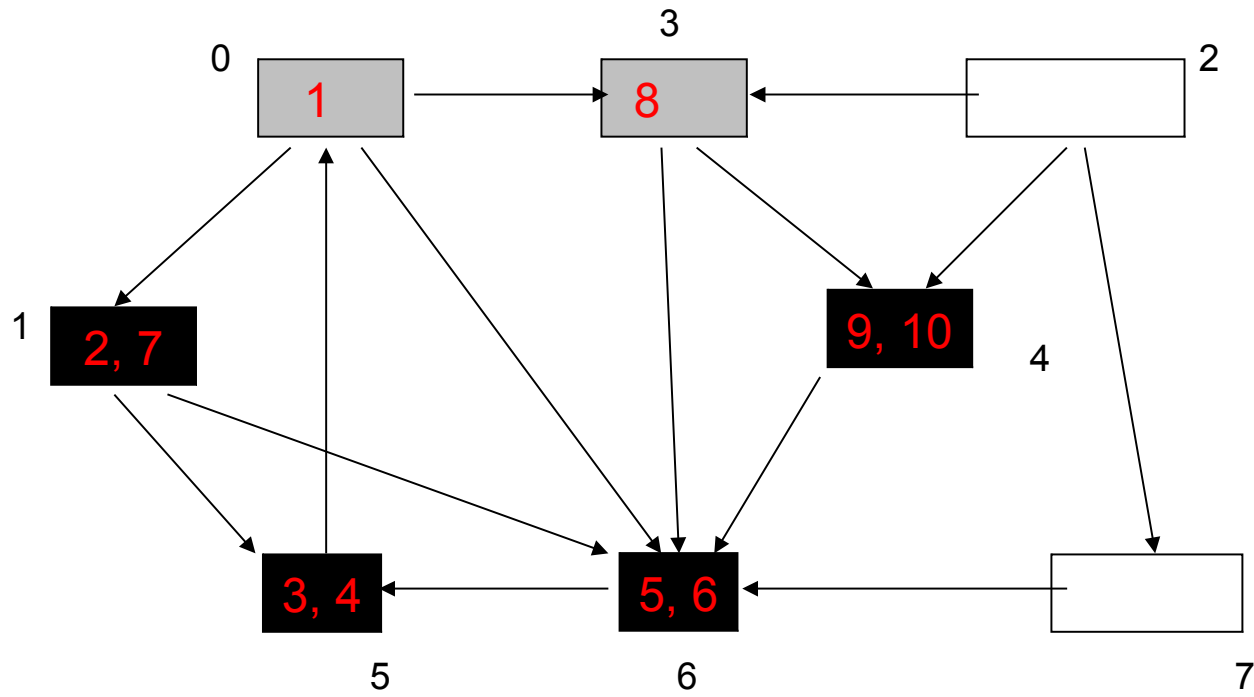




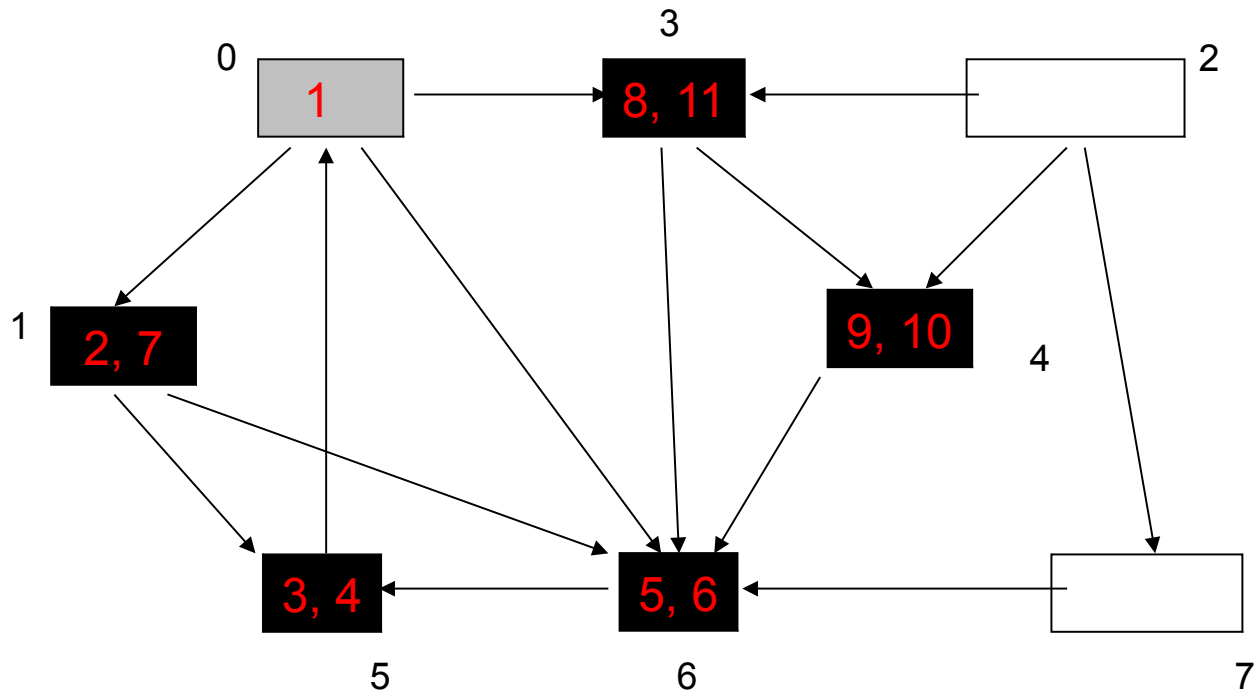


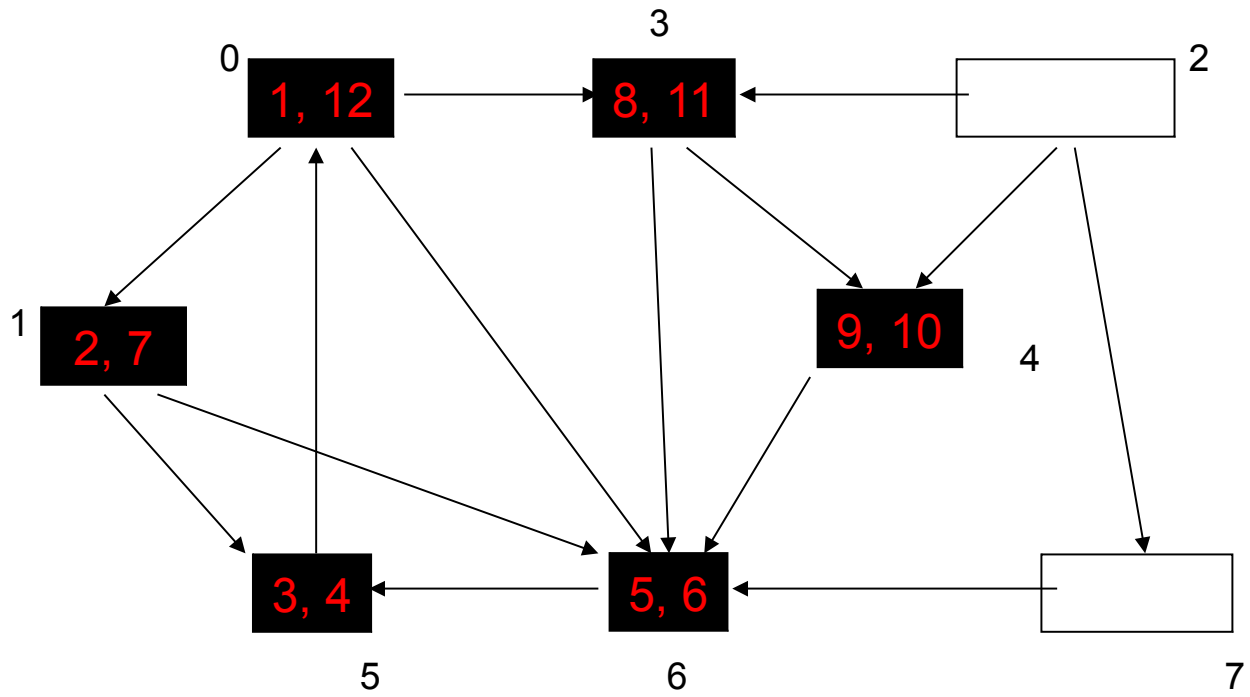


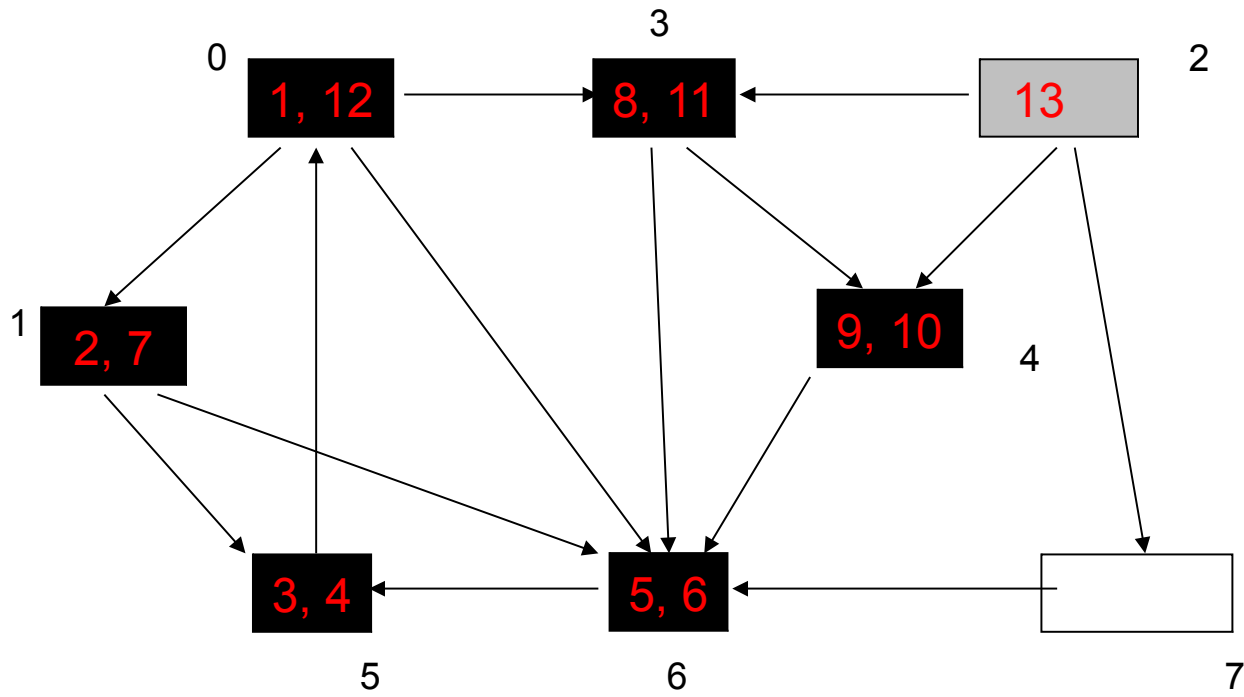


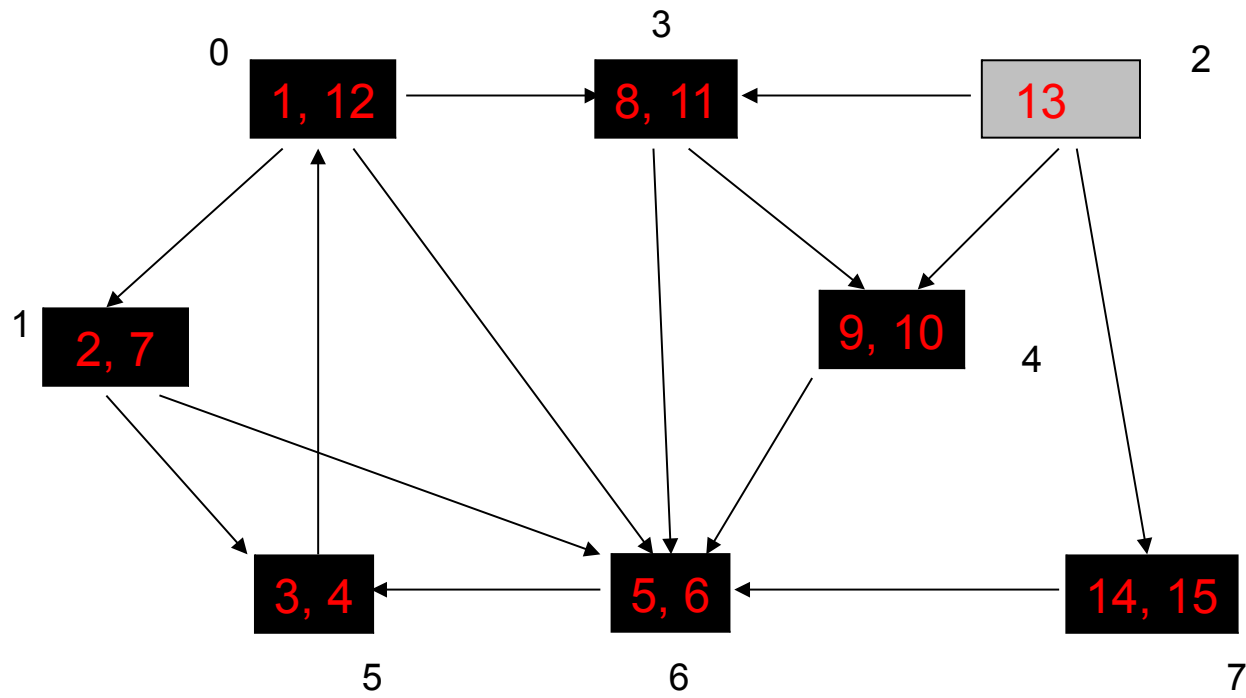


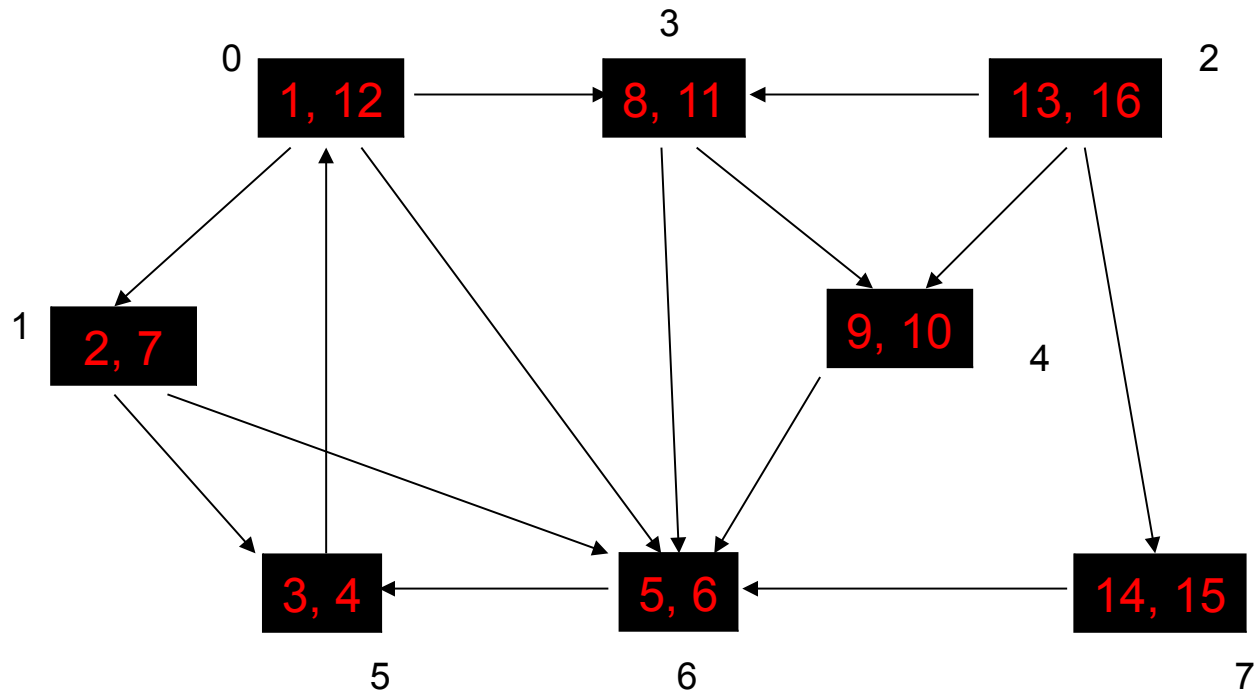






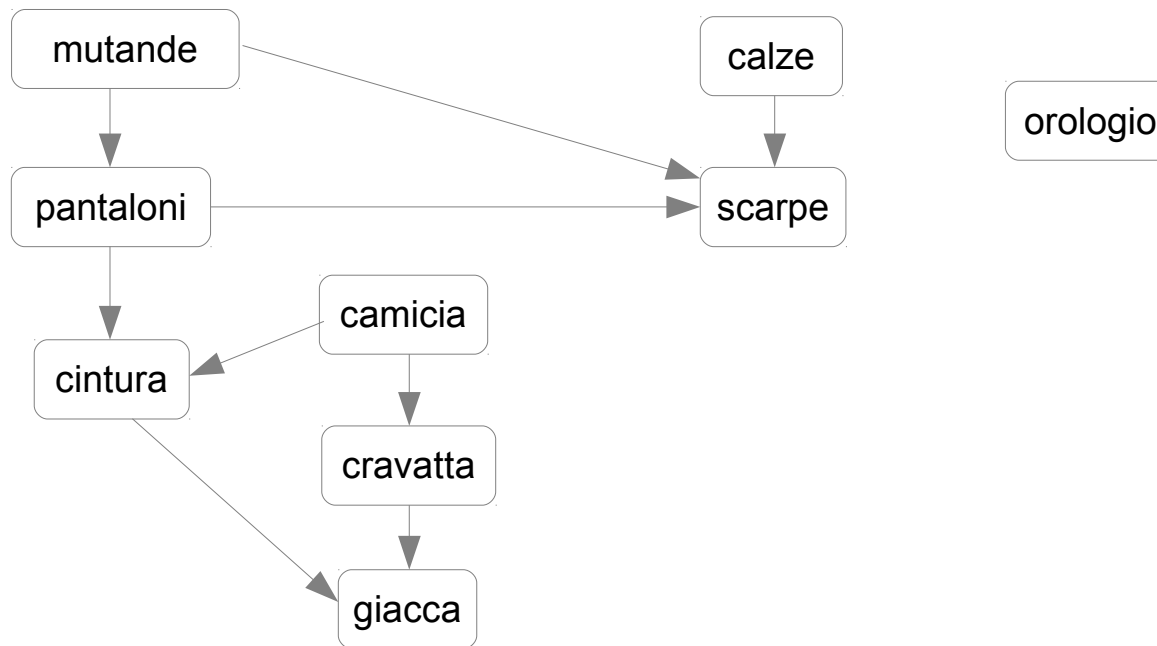




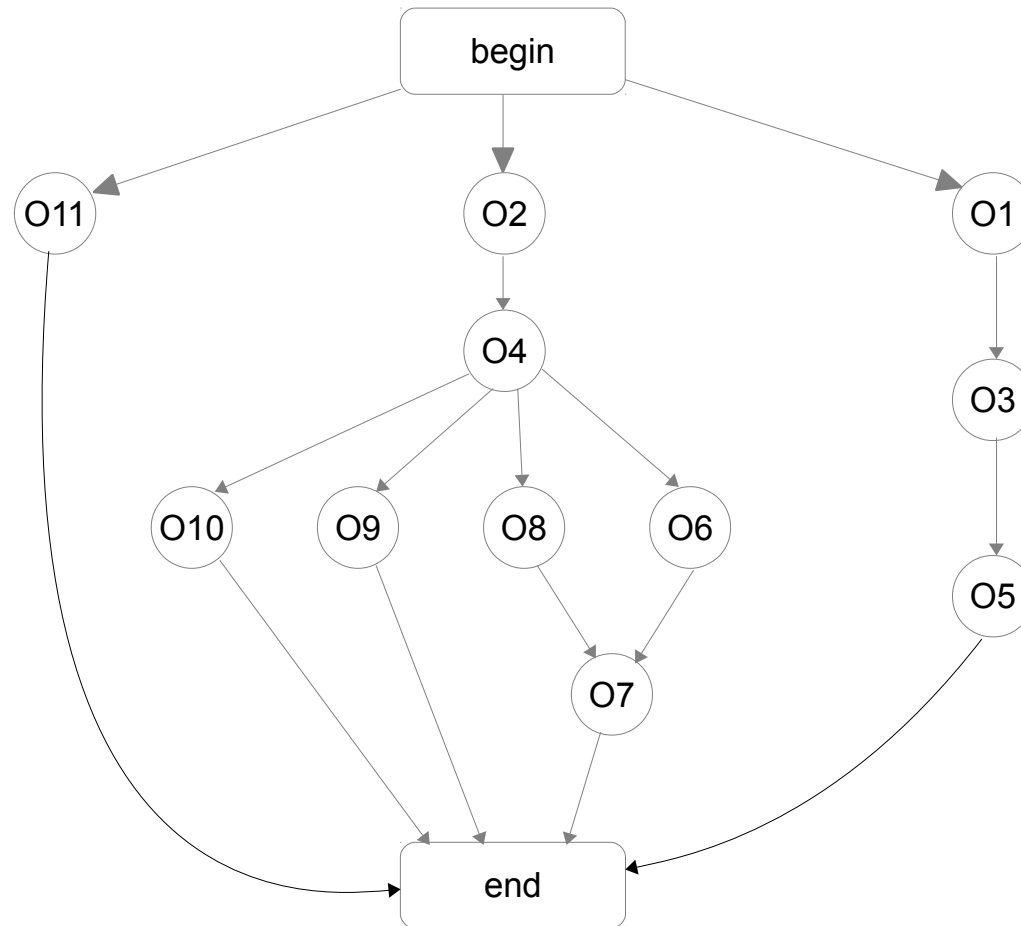


# Ordinamento Topologico

- Supponiamo di avere un grafo orientato aciclico (*directed acyclic graph*, DAG) che rappresenta le precedenze tra eventi
- Come questo, per esempio

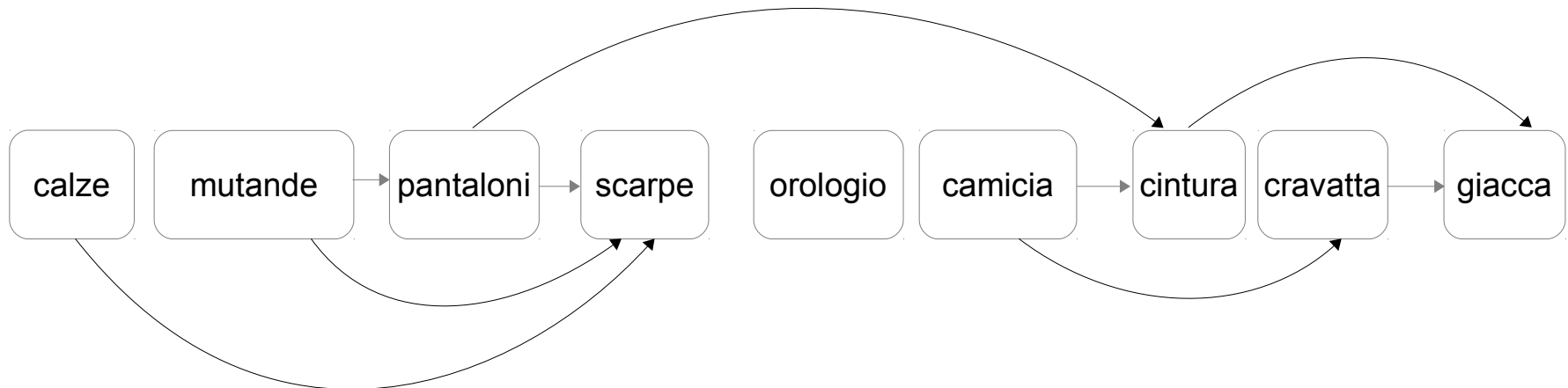


- O, se preferite, come questo (che rappresenta un Network Part Program di un Flexible Manufacturing System)



## Ordinamento topologico (2)

- Un ordinamento topologico di un DAG è un ordinamento lineare dei nodi del grafo tale che, se nel DAG c'è un arco  $(u, v)$ , allora il nodo  $u$  precede  $v$  nell'ordinamento
- Per esempio, un ordinamento topologico del primo DAG della slide precedente potrebbe dare il seguente ordinamento



- si noti che questo non è l'unico possibile ordinamento ammissibile...



- Di fatto, un ordinamento topologico restituisce un ordinamento che rispetta le precedenze tra eventi
  - per esempio, nel caso del network part program, un ordinamento topologico restituisce una sequenza di operazioni che è compatibile con le precedenze tra di esse
    - cioè tale che, quando eseguiamo  $O_i$ , tutte le operazioni preparatorie necessarie sono state completate
- Il problema dell'ordinamento topologico di un DAG è il seguente:
  - *input*: un DAG  $G$
  - *output*: una lista che è un ordinamento topologico di  $G$ 
    - si ricordi che una lista è un ordinamento lineare, in cui l'ordine è dato da come gli oggetti nella lista sono connessi tra loro
- Idea per l'algoritmo:
  - visitiamo il DAG con un algoritmo DFS
  - quando coloriamo un nodo  $u$  di  $G$  di nero (cioè ogni volta che finiamo di visitare un nodo di  $G$ ), inseriamo  $u$  in testa alla lista
  - dopo che abbiamo visitato tutti i nodi di  $G$ , la lista che abbiamo costruito è un ordinamento topologico di  $G$ , e lo restituiamo

TOPOLOGICAL-SORT( $G$ )

```
1  $L := \emptyset$ 
2 for each  $u \in G.V$ 
3    $u.color := WHITE$ 
4 for each  $u \in G.V$ 
5   if  $u.color = WHITE$ 
6     TOPSORT-VISIT( $L, u$ )
7 return  $L$ 
```

TOPSORT-VISIT( $L, u$ )

```
1  $u.color := GRAY$ 
2 for each  $v \in u.Adj$ 
3   if  $v.color = WHITE$ 
4     TOPSORT-VISIT( $L, v$ )
5 crea l'elemento di lista  $x$ 
6  $x.key := u$ 
7 LIST-INSERT( $L, x$ )
8  $u.color := BLACK$ 
```

- Il tempo di esecuzione di TOPSORT è lo stesso di DFS, cioè  $\Theta(|V| + |E|)$ 
  - le linee 5-7 di TOPSORT-VISIT impiegano tempo  $\Theta(1)$  (come le linee 2-3 e 7-8 di DFS-VISIT), ed il resto dell'algoritmo è come DFS
    - tranne la gestione della variabile *time*, che possiamo evitare

# Approfondimento: cammini minimi

- Si vuole ottenere il cammino minimo tra due nodi (es. problema delle distanze tra stazioni ferroviarie)

**Ingresso:**  $G = (V, E)$  diretto, funzione di peso  $w : E \rightarrow \mathbf{R}$

- Peso di un cammino:

$$p = \langle v_0, v_1, \dots, v_k \rangle$$

$$W(p) = \sum_{i=1}^k w(v_{i-1}, v_i)$$

- peso cammino minimo da  $u$  a  $v$ :

$$\delta(u, v) = \begin{cases} \min \{ w(p) : u \xrightarrow{p} v \}, & \text{se esiste cammino } p \text{ da } u \text{ a } v \\ \infty, & \text{altrimenti} \end{cases}$$

- Ok pesi negativi, ma non cicli negativi! (come mai?)
- Inoltre calcoliamo i cammini minimi da un nodo fissato  $s$  (detto *sorgente*) (anch'esso fornito in ingresso)

**Uscita:**  $\forall v \in V$ :

- $d[v] = \delta(s, v)$ 
  - all'inizio  $d[v] = \infty$
  - viene ridotto al procedere dell'algoritmo. Però sempre  $d[v] \geq \delta(s, v)$
  - $d[v]$  viene anche detto *stima di cammino minimo* (dalla sorgente  $s$  a  $v$ )
- $Pi[v] =$  predecessore di  $v$  nel cammino min da  $s$ 
  - se non esiste: = NIL

- Gli algoritmi di questo tipo si basano sul concetto di *rilassamento*

*Rilassamento di un lato (u,v):*

- se  $d[v] > d[u] + w(u,v)$  allora  
     $d[v] := d[u] + w(u,v)$  e  
     $Pi[v] := u$
- (cioè vediamo che "costa di meno" passare per il lato (u,v))

RELAX(u, v, adj, d, Pi)

```
if d[v] > d[u] + adj[u][v]:  
    d[v] := d[u] + adj[u][v]  
    Pi[v] := u
```

# Algoritmo di Bellman-Ford

BELLMAN-FORD(adj, s)

V := vector of nodes of adj

allocate vectors d, Pi of size adj

for i from 0 to |adj|-1

    d[i] :=  $\infty$

d[s] := 0

repeat for |V|-1 times

    for u in V

        for v in adj[u]

            RELAX(u, v, adj, d, Pi)

return [d, Pi]

*In pratica rilasso, un passo alla volta, partendo da s.  
Ad ogni passo avanzo di un passo nei miei cammini –  
al |V|-1-esimo passo sicuramente avrò toccato tutti i nodi  
raggiungibili  
(chiaramente non converge se ci sono cicli negativi...)*

Esempio:

Adj = [{1:2, 2:2, 3:3}, {2:-3}, {0:1, 3:5}, {}, {0:-1,3:4}]

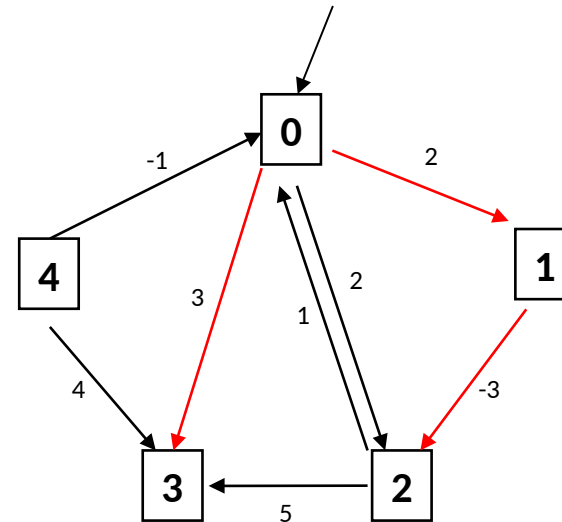
d, Pi = bellmanFord(Adj, 0);

Distanze (4 e` irraggiungibile):

d: [0, 2, -1, 3,  $\infty$ ]

Predecessori (codifica i cammini minimi):

Pi: [NIL, 0, 1, 0, NIL]



Costo: ciclo su tutte le adiacenze innestato in un ciclo su  $|V|$ ; relax costo costante  
=>  $\Theta(|V||E|)$